

# NextSeq 550

## 系统指南



本文档及其内容归 Illumina, Inc. 及其附属公司（以下简称“Illumina”）所有，并且仅供其客户用于与本文档内所述产品用途相关的合同用途，不得用于其他任何目的。若事先未获得 Illumina 的书面许可，不得出于任何其他目的使用或分发本文档及其内容，以及/或者以其他任何方式对其进行传播、披露或复制。Illumina 不通过本文档向第三方授权其任何专利、商标、所有权或普通法权利或类似权利。

必须由具备资质且受过相关培训的人员严格明确遵照本文档中的说明操作，以确保本文档中所述产品的使用适当且安全。在使用此类产品之前，相关人员必须通读并理解本文档中的所有内容。

未能完整阅读并明确遵守本文档中包含的所有说明可能会导致产品损坏、对用户或其他人员造成人身伤害以及对其他财产造成损害，并且将导致产品适用的保证失效。

对于由不当使用本文档中描述的产品（包括其部件或软件）引起的任何后果，ILLUMINA 概不承担任何责任。

© 2021 Illumina, Inc. 保留所有权利。

所有商标均为 Illumina, Inc. 或其各自所有者的财产。有关特定的商标信息，请参见 [www.illumina.com/company/legal.html](http://www.illumina.com/company/legal.html)。

## 修订历史记录

文档	日期	更改描述
材料号 20006831 文档号 15069765 v07	2021 年 10 月	更新了“测序运行持续时间”中运行的最长持续时间 更新了“一个片段中的循环次数”部分 重新组织了“准备流动槽”部分中的步骤 在手册中包含了新旧夹盒 在“更换空气过滤器”部分包含了 3 个备用空气过滤器 “系统检查”部分的更新包含 LRM 凭据
材料号 20006831 文档号 15069765 v06	2019 年 6 月	添加了运行设置期间 BaseSpace Sequence Hub 的工作组信息。 添加了输出文件夹的 UNC 路径信息。 添加了对网络存储错误的故障诊断。 明确了空气过滤器的指示是针对配备过滤器（可从后面板接触到）的仪器。 将根文件夹中文件的位置更新为了输出文件夹中运行所特定的文件夹。
材料号 20006831 文档号 15069765 v05	2018 年 12 月	更新了 NextSeq Control Software (NCS) 4.0 的软件描述、屏幕和工作流程。 更新了 NCS 4.0 的以下附加信息。 · 添加了有关 Local Run Manager 软件的信息。 · 更新了“BaseSpace Sequence Hub”中的 BaseSpace 信息。 BaseSpace “Prep（准备）”选项卡和 BaseSpace Onsite 不再可用。 · 添加了有关选择 Local Run Manager 或手动运行模式的说明。 手动模式取代了独立模式，但进行了一些修改。 · 添加了检查 BaseSpace Sequence Hub 中是否有仪器软件更新的选项。 · 在 System Suite 软件包的描述中添加了 Local Run Manager、Universal Copy Service 和 Direct Memory Access (DMA) 驱动程序。删除了 BaseSpace Broker 和 SAV。 · Run Copy Service 现为 Universal Copy Service。 · 添加了装入试剂夹盒时启用自定义配方的选项。 · 删除了对监控运行进度时的流动槽图像的描述。 · 删除了全屏模式和 Windows 模式的选择启动选项。 · 添加了 MethylationEPIC v1.0 作为一种兼容的 BeadChip 类型。 · 添加了仪器的空气过滤器维护说明。 · 添加了注意、信息和最小化 NCS 的新图标。 · 更新了自定义运行设置和系统设置的说明。 · 更新了发送仪器性能数据选项。 · 更新了数据传输图标。 · 明确了对于扫描，排队等待传输的文件没有时间限制。 · 将运动检查信息中的 BSM 更正为了缓冲液吸管装置。 · 添加了有关 Windows 密码六个月过期的信息。 添加了用于仪器维护的试剂或分光光度级甲醇或异丙醇酒精 (99%)。

文档	日期	更改描述
材料号 20006831 文档号 15069765 v04	2018 年 5 月	<p>添加了对 NextSeq v2.5 试剂的支持。</p> <p>更新了存储/装运信息，指出 NextSeq v2.5 试剂盒在室温条件下装运流动槽。NextSeq v2.5 流动槽的存储要求与之前的版本相同。</p> <p>添加了有关使用 NextSeq v2.5 试剂盒需将软件更新到 2.2 版本的信息。</p> <p>添加了有关中等输出试剂盒装入浓度的说明。</p> <p>添加了有关保存流动槽的说明。</p> <p>添加了建议使用高输出流动槽执行系统检查的说明。</p>
材料号 20006831 文档号 15069765 v03	2018 年 3 月	<p>删除了登录操作系统所需的默认用户名和密码。Illumina 建议使用站点专用的凭据。</p> <p>在“选择 BaseSpace 配置”部分添加了有关 Illumina Proactive 监控服务的信息。</p> <p>将提到的 RTA v2 软件更新为 RTA2。</p>
材料号 20006831 文档号 15069765 v02	2016 年 3 月	<p>添加了“标签注意事项”部分。</p> <p>删除了流动槽检查步骤。</p> <p>在“将文库装入试剂夹盒”步骤中指定了装入剂量和浓度。</p>
材料号 20001843 文档号 15069765 v01	2015 年 10 月	<p>指定了与建议的 NaOCl 供应商等同的供应商须为等同的实验室级供应商。</p> <p>添加了有关年度预防性维护服务的建议。</p> <p>重新组织了“概述”和“入门”两章中的信息。添加了有关自定义系统设置的说明。</p> <p>从“故障诊断”一章中删除了“在线帮助”说明。控制软件中已删除此功能。</p>
部件号 15069765 修订版 B	2015 年 5 月	更正了对试剂夹盒上预留槽的描述。
部件号 15069765 修订版 A	2015 年 5 月	初始版本。

# 目录

第 1 章概述 .....	1
简介 .....	1
更多资源 .....	1
RUO 模式下的 NextSeq 550Dx .....	2
仪器组件 .....	2
测序耗材概述 .....	5
第 2 章入门 .....	9
启动仪器 .....	9
自定义系统设置 .....	9
自定义运行设置 .....	11
用户自备的耗材和设备 .....	11
第 3 章测序 .....	13
简介 .....	13
使用 Local Run Manager 软件创建运行 .....	14
使用 NCS 创建运行 .....	14
准备试剂夹盒 .....	14
准备流动槽 .....	15
制备测序文库 .....	16
设置测序运行 .....	16
监控运行进度 .....	22
运行后自动清洗 .....	24
第 4 章扫描 .....	25
简介 .....	25
下载 DMAP 文件夹 .....	25
将 BeadChip 装入转接器 .....	26
设置扫描 .....	27
监控扫描进度 .....	29
第 5 章维护 .....	30
简介 .....	30
执行手动清洗 .....	30
更换空气过滤器 .....	33
软件更新 .....	34
关闭仪器 .....	36
附录 A 故障诊断 .....	37
简介 .....	37
故障诊断文件 .....	37
解决自动检查错误 .....	38
废试剂容器已满 .....	40

再次杂化工作流程 .....	41
BeadChip 和扫描错误 .....	42
自定义配方和配方文件夹 .....	44
系统检查 .....	44
RAID 错误消息 .....	46
网络存储错误 .....	46
配置系统设置 .....	46
附录 B Real-Time Analysis .....	49
Real-Time Analysis 概述 .....	49
Real-Time Analysis 工作流程 .....	50
附录 C 输出文件和文件夹 .....	53
测序输出文件 .....	53
测序输出文件夹结构 .....	56
扫描输出文件 .....	57
扫描输出文件夹结构 .....	57
附录 D NextSeq 550Dx 研究模式注意事项 .....	58
简介 .....	58
NextSeq 550Dx 耗材兼容性 .....	58
启动 NextSeq 550Dx 仪器 .....	58
NextSeq 550Dx 仪器模式指示器 .....	59
NextSeq 550Dx 重新启动和关机选项 .....	60
索引 .....	61
技术协助 .....	65

# 第 1 章概述

简介 .....	1
更多资源 .....	1
RUO 模式下的 NextSeq 550Dx .....	2
仪器组件 .....	2
测序耗材概述 .....	5

## 简介

仅凭 Illumina® NextSeq™ 550 系统这一款解决方案，即可实现高通量测序与阵列扫描之间的无缝过渡。

## 测序功能

- ▶ **高通量测序** — NextSeq 550 可实现外显子组测序、全基因组测序及转录组测序，并支持 TruSeq™、TruSight™ 和 Nextera™ 文库。
- ▶ **流动槽类型** — 流动槽分为高输出和中等输出配置。每种类型的流动槽都会配备一个预先注入试剂的兼容试剂夹盒。
- ▶ **Real-Time Analysis (RTA)** — 集成式分析软件执行仪器内数据分析，包括图像分析和碱基检出。NextSeq 使用名为 RTA v2 的 RTA 实施，该版本包含体系结构和功能方面的重要差异。有关详细信息，请参见 *Real-Time Analysis* (第 49 页)。
- ▶ **使用 BaseSpace™ Sequence Hub 进行基于云的分析** — 测序工作流程与 BaseSpace Sequence Hub 相集成，后者是 Illumina 用于运行监控、数据分析、存储和协作的基因组云计算环境。当运行执行时，输出文件会实时传送到 BaseSpace Sequence Hub 进行分析。
- ▶ **仪器内数据分析** — Local Run Manager 软件会根据为运行所指定的分析模块来分析运行数据。

## 阵列扫描功能

- ▶ **控制软件中的集成阵列扫描** — NextSeq 550 允许您使用同一个控制软件于同一个仪器上在阵列扫描与高通量测序之间进行转换。
- ▶ **扩展成像能力** — NextSeq 550 中的成像系统对软件和槽台做了一些改动，能够对较大表面区域成像以适应 BeadChip 扫描。
- ▶ **BeadChip 类型** — 兼容的 BeadChip 类型包括 CytoSNP-12、CytoSNP-850K、Karyomap-12 和 MethylationEPIC v1.0。
- ▶ **BeadChip 转接器** — 可重复使用的 BeadChip 转接器能够将 BeadChip 轻松装入仪器。
- ▶ **数据分析** — 使用 BlueFuse® Multi 软件可分析阵列数据。

## 更多资源

以下文档可从 Illumina 网站下载。

资源	描述
《NextSeq 系统场地准备指南》 (文档号 15045113)	提供实验室空间规范、电气要求和环境注意事项。
《NextSeq 系统安全和合规性指南》 (文档号 15046564)	提供有关操作安全注意事项、合规性声明和仪器标签的信息。

资源	描述
《RFID 读写器 - 型号 TR-001-44 用户指南》 (文档号 15041950)	提供有关仪器中的 RFID 读写器、合规认证和安全注意事项的信息。
《变性和稀释 NextSeq 系统的文库》 (文档号 15048776)	提供有关为测序运行稀释和变性已制备的文库以及制备可选 PhiX 对照品的说明。此步骤适用于大多数文库类型。
《NextSeq 自定义引物指南》 (文档号 15057456)	提供有关使用自定义测序引物代替 Illumina 测序引物的信息。
BaseSpace 帮助	提供有关使用 BaseSpace™ Sequence Hub 及可用分析选项的信息。
《NextSeq 550Dx 仪器参考指南》 (文档号 1000000009513)	提供 NextSeq 550Dx 仪器组件和软件的概述、有关执行测序运行的说明，以及仪器维护和故障诊断的程序。
《Local Run Manager 软件指南》 (文件号 1000000002702)	提供有关 Local Run Manager 软件的概述以及使用软件功能的说明。

访问 Illumina 网站上的 [NextSeq 550 支持页面](#)，查看相应文档、可下载软件、在线培训和常见问题解答。

## RUO 模式下的 NextSeq 550Dx

本指南中的说明同样适用于处于研究模式且使用最新版 RUO 仪器软件的 NextSeq 550Dx 仪器。有关例外情况和其他注意事项的摘要，请参见 [NextSeq 550Dx 研究模式注意事项](#) (第 58 页)。

## 仪器组件

NextSeq 550 系统包括一个触摸屏显示器、一个状态栏和四个仓。

图 1 仪器组件



- A **触摸屏显示器** — 让用户可以使用控制软件界面进行仪器内配置和设置。
- B **状态栏** — 指出仪器状态，包括：处理中（蓝色）、需要注意（橙色）、可供测序（绿色）或接下来的 24 小时内需要进行清洗（黄色）。
- C **缓冲液仓** — 容纳缓冲液夹盒和废试剂容器。
- D **试剂仓** — 容纳试剂夹盒。
- E **电源按钮** — 打开或关闭仪器和仪器计算机的电源。
- F **成像仓** — 容纳供测序用的流动槽或供扫描用的 BeadChip 转接器。

G **空气过滤器仓** — 放置配备空气过滤器的仪器的过滤器（可从后面板接触到）。

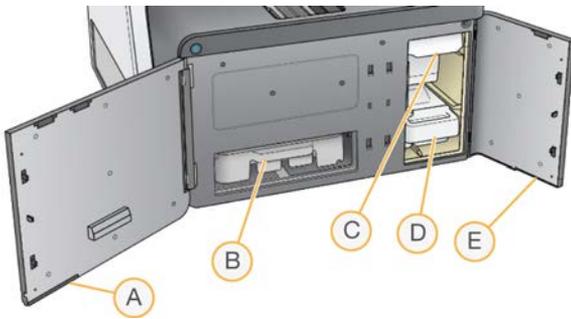
## 成像仓

成像仓内含流动槽台，流动槽台上有三根用于确定流动槽（测序时）或 BeadChip 转接器（扫描时）的位置的对准针。装入流动槽或 BeadChip 转接器后，成像仓门会自动关闭并将组件移动到位置。

## 试剂仓和缓冲液仓

要在 NextSeq 550 上设置测序运行，需要打开试剂仓和缓冲液仓，以便装入运行耗材并清空废试剂容器。

图 2 试剂仓和缓冲液仓



- A **试剂仓门** — 通过仓门右下角的槽锁封闭试剂仓。试剂仓用于容纳试剂夹盒。试剂会抽到吸管和射流系统中，然后输送到流动槽。
- B **试剂夹盒** — 试剂夹盒是预先注入溶液的一次性耗材。
- C **缓冲液夹盒** — 缓冲液夹盒是预先注入溶液的一次性耗材。
- D **废试剂容器** — 每次运行后收集废试剂以弃置。
- E **缓冲液仓门** — 通过仓门左下角的槽锁封闭缓冲液仓。

## 空气过滤器仓

空气过滤器仓内放置配备空气过滤器的仪器的过滤器（可从后面板接触到）。每隔 90 天更换一次空气过滤器。有关更换过滤器的信息，请参见 [更换空气过滤器](#)（第 33 页）。

## NextSeq 软件

仪器软件包括执行测序运行或阵列扫描的数个集成应用程序。

- ▶ **NextSeq Control Software (NCS)** — 控制仪器操作，并引导您完成测序运行设置或阵列扫描的步骤。
  - ▶ 软件预装在 NextSeq 上，并在仪器上运行。NCS 会根据 Local Run Manager 软件模块或 NCS 中指定的参数执行运行。
  - ▶ 在启动测序运行之前，您需要先选择一个使用 Local Run Manager 模块或在 NCS 中创建的运行。NCS 软件界面会引导您完成装入流动槽和试剂的步骤。
  - ▶ 运行期间，软件会操作流动槽台、分配试剂、控制射流、设置温度、捕获流动槽上的簇图像，以及提供质量统计信息的直观汇总。您可以在 NCS 或 Local Run Manager 中监控运行。
  - ▶ 运行期间（您可以在 NCS 或 Local Run Manager 中监控运行），NCS 会执行以下功能。
    - ▶ 操作流动槽台
    - ▶ 分配试剂
    - ▶ 控制射流
    - ▶ 设置温度
    - ▶ 捕获流动槽上的簇图像

- ▶ 提供质量统计信息的直观汇总
- ▶ **Local Run Manager 软件** — 用于创建运行和分析结果（二级分析）的集成软件解决方案。该软件还可跟踪样品信息并控制用户权限。
- ▶ **Real-Time Analysis (RTA) 软件** — 对于测序运行，RTA 会在运行期间执行图像分析和碱基检出。NextSeq 550 使用的是 RTA v2，该版本包含在体系结构和功能方面与较早版本之间的重要差异。有关详细信息，请参见 *Real-Time Analysis*（第 49 页）。
- ▶ **Universal Copy Service** — 将测序输出文件从运行文件夹复制到输出文件夹和 BaseSpace Sequence Hub（如适用），以便在其中访问这些文件。

Real-Time Analysis (RTA) 和 Universal Copy Service 只运行后台进程。

## 状态图标

控制软件界面屏幕右上角的状态图标会指示运行设置或运行执行期间的任何状况变化。

状态图标	状态名称	描述
	状态正常	系统正常。
	正在处理	系统正在处理。
	警告	出现警告。 警告不会使运行停止，并且不需要执行操作，运行即可继续。
	错误	发生错误。 如果有错误，需要执行操作后才能继续运行。
	注意	出现需要注意的通知。请参见相应消息以获取其他信息。
	信息	仅作参考的消息。无需任何后续操作。

当状况发生变化时，图标会闪烁，以向您示警。选择图标可查看对该状况的说明。选择 **Acknowledge**（确认）接受消息，然后选择 **Close**（关闭）关闭对话框。

## 导航栏图标

最小化 NCS 图标位于控制软件界面的右上角。

访问图标	图标名称	描述
	最小化 NCS	选择该图标可最小化 NCS，以访问 Windows 应用程序和文件夹。

## 电源按钮

NextSeq 正面的电源按钮可以为仪器和仪器计算机接通电源。该电源按钮根据仪器电源的状态执行以下操作。

电源状态	操作
仪器电源已关闭	轻按按钮可开启电源。
仪器电源已开启	轻按按钮可关闭电源。屏幕上会显示对话框，以确认正常的仪器关机。
仪器电源已开启	长按电源按钮 10 秒钟不放，会强制仪器和仪器计算机硬性关机。除非仪器失去响应，否则请勿使用此方法关闭仪器。



### 注意

如果在测序运行期间关闭仪器，会导致运行立即结束。结束运行操作不可逆。运行用的耗材不能重复使用，并且运行的测序数据将不会保存。

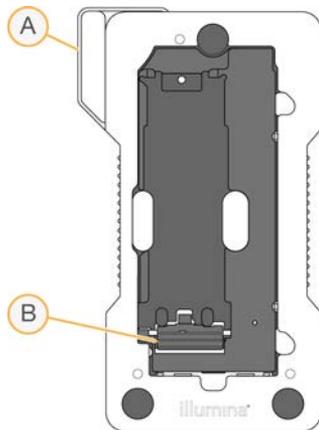
## Windows 密码要求

操作系统要求您每隔 180 天更改一次 Windows 密码。出现提示时，请更新您的 Windows 密码。如果使用 Local Run Manager 进行分析，则还需更新 Local Run Manager 中 Windows 帐户的密码。请参见《Local Run Manager 软件指南》（文档号 100000002702）中的“指定服务帐户设置”一节。

## 可重复使用的 BeadChip 转接器概述

可重复使用的 BeadChip 转接器用于在扫描期间固定 BeadChip。在转接器的凹槽中，用固定夹卡住 BeadChip。然后将 BeadChip 转接器装入成像仓的台座中。

图 3 可重复使用的 BeadChip 转接器



- A BeadChip 转接器
- B 固定夹

## 测序耗材概述

### 内含物品和存储条件

运行 NextSeq 所需的测序耗材在一次性试剂盒中单独提供。每个试剂盒内含一个流动槽、一个试剂夹盒、一个缓冲液夹盒，以及文库稀释缓冲液。当您收到 NextSeq 500/550 试剂盒时：

- ▶ 请勿打开流动槽的箔纸包装，除非收到指示需要如此。

- ▶ 立即按所要求的温度存储试剂盒组件，以确保性能正常。
- ▶ 存储试剂夹盒时将包装标签所在的面朝上放置。

耗材	数量	存储温度	描述
试剂夹盒	1	-25°C 到 -15°C	包含簇生成试剂和测序试剂
缓冲液夹盒	1	15°C 到 30°C	包含缓冲液和清洗液
HT1	1	-25°C 到 -15°C	杂交缓冲液
流动槽	1	2°C 到 8°C*	一次性流动槽

\*对于 NextSeq v2.5 试剂盒，在室温条件下装运

试剂对光敏感。请将试剂夹盒和缓冲液夹盒避光存储。

流动槽、试剂夹盒和缓冲液夹盒均使用射频识别（radio-frequency identification，简称 RFID）来精确跟踪耗材并确保兼容性。

所有其他试剂盒提供的夹盒中均预先注入了双序列标签测序引物和 NaOCl。不需要执行额外的步骤。



**注意**

NextSeq v2.5 试剂盒需要 NCS 2.2 或更高版本。请务必在准备样品和耗材前完成软件更新。

## 试剂盒兼容性和标签

试剂盒组件标有颜色编码指示器，以反映流动槽与试剂夹盒之间的兼容性。请始终使用兼容的试剂夹盒和流动槽。缓冲液夹盒是通用的。

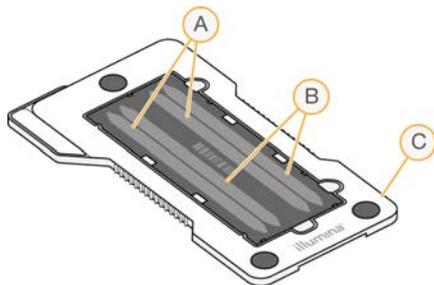
每个流动槽和试剂夹盒都标有 High（高）或 Mid（中等）。每次准备用于运行的耗材时，请务必检查标签。

试剂盒类型	标签上的标识
高输出试剂盒组件	
中等输出试剂盒组件	

对于研究模式下的 NextSeq 550Dx 仪器，需额外考虑一些兼容性注意事项。请参见 [NextSeq 550Dx 耗材兼容性](#)（第 58 页）。

## 流动槽概述

图 4 流动槽夹盒



- A 泳道对 A — 泳道 1 和 3
- B 泳道对 B — 泳道 2 和 4
- C 流动槽夹盒框

流动槽是玻璃制底物，用于生成簇并执行测序反应。它封装在流动槽夹盒中。

流动槽包含四个按对成像的泳道。

- ▶ 泳道 1 和 3（泳道对 A）同时成像。
- ▶ 泳道 2 和 4（泳道对 B）在泳道对 A 完成成像后成像。

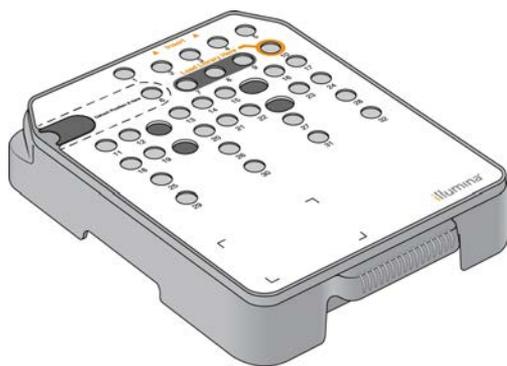
虽然流动槽有四个泳道，但只有一个文库或一组混合文库在流动槽上测序。文库通过单个槽装入试剂夹盒，并自动传送到流动槽四个泳道中。

每个泳道在小的成像区域（称为小区）中成像。有关详细信息，请参见 [流动槽小区](#)（第 53 页）。

## 试剂夹盒概述

试剂夹盒属于一次性耗材，能够通过 RFID 进行跟踪，并配有预先注入簇生成和测序试剂的封箔槽。

图 5 试剂夹盒



试剂夹盒上有一个指定的槽，用于装入所制备的文库。运行开始后，系统会自动将槽中的文库输送到流动槽。

夹盒上预留了几个槽，用于进行运行后自动清洗。清洗液会从缓冲液夹盒抽到预留的槽，并流经整个系统，然后输送到废试剂容器中。

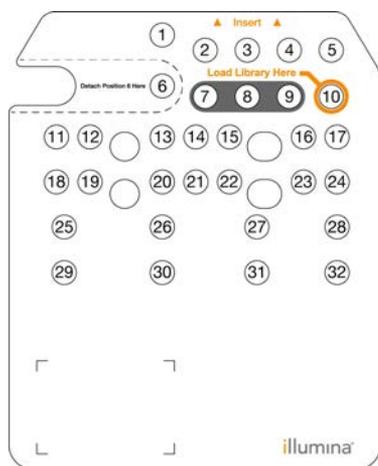


### 警告

这组试剂含有潜在危险化学品。吸入、摄取、皮肤接触和眼睛接触都会对身体造成伤害。请穿戴防护装备，包括适合的护目用具、手套和实验室工作服以避免伤害。将废试剂作为化学废物处理，并根据适用的区域、国家和当地法律及法规丢弃。有关环境、健康和安全的更多信息，请参见 [support.illumina.com/sds.html](http://support.illumina.com/sds.html) 中的 SDS。

## 预留的槽

图 6 带编号的槽



位置	描述
7、8 和 9	为可选的自定义引物预留
10	装入文库

有关自定义引物的信息，请参见《NextSeq 自定义引物指南》（文档号 15057456）。

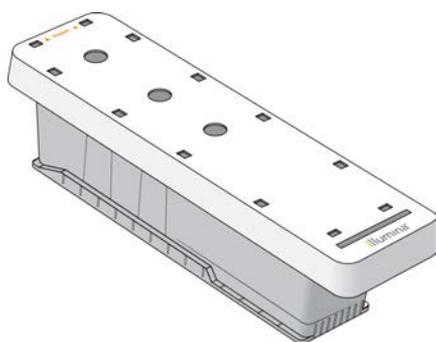
## 位置 6 处的可卸槽

在预先注入试剂的试剂夹盒中，位置 6 处装有含甲酰胺的变性试剂。为便于在测序运行后对任何未使用的试剂进行安全处理，位置 6 处的槽可卸下。有关详细信息，请参见[取下位置 6 处用过的槽](#)（第 21 页）。

## 缓冲液夹盒概述

缓冲液夹盒是一次性耗材，内含三个预先注入了缓冲液和清洗液的槽。缓冲液夹盒中的溶液足够用于对一个流动槽测序。

图 7 缓冲液夹盒



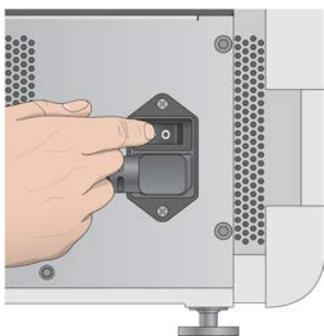
## 第 2 章入门

启动仪器 .....	9
自定义系统设置 .....	9
自定义运行设置 .....	11
用户自备的耗材和设备 .....	11

### 启动仪器

将电源切换开关切换到 I（开）位置。

图 8 位于仪器背面的电源开关



#### 注意

要启动研究模式下的 NextSeq 550Dx 仪器，请参见 [启动 NextSeq 550Dx 仪器](#)（第 58 页）。

- 1 按试剂仓上方的电源按钮。电源按钮将会开启仪器电源并启动集成仪器计算机和软件。

图 9 位于仪器正面的电源按钮



- 2 等待操作系统完成加载过程。  
NextSeq Control Software (NCS) 会自动启动并初始化系统。初始化步骤完成后，“Home（主页）”屏幕将会打开。
- 3 如果系统已配置为需要输入登录凭据，请等待系统完成加载，然后再登录操作系统。如果需要，可联系您所在机构的管理人员获取用户名和密码。

### 自定义系统设置

控制软件包含以下配置的可自定义系统设置。要更改网络配置设置，请参见 [配置系统设置](#)（第 46 页）。

- ▶ 自定义仪器标识（头像和昵称）

- ▶ 设置键盘选项和音频指示器
- ▶ 设置自定义配方选项
- ▶ 在 BaseSpace Sequence Hub 中设置检查仪器软件更新
- ▶ 设置发送仪器性能数据选项

## 自定义仪器头像和昵称

- 1 从“Home（主页）”屏幕中，选择 **Manage Instrument**（管理仪器）。
- 2 选择 **System Customization**（系统自定义）。
- 3 要为仪器指定首选头像，请选择 **Browse**（浏览）并导航至目标图像。
- 4 在“Nickname（昵称）”字段中，输入偏好的仪器名称。
- 5 选择 **Save**（保存）保存设置，进入后续屏幕。  
该图像和名称会显示在每个屏幕的左上角。

## 设置键盘选项和音频指示器

- 1 从“Home（主页）”屏幕中，选择 **Manage Instrument**（管理仪器）。
- 2 选择 **System Customization**（系统自定义）。
- 3 选中 **Use on-screen keyboard**（使用屏幕键盘）复选框激活屏幕键盘，以便向仪器输入数据。
- 4 选中 **Play audio**（播放音频）复选框，针对下列事件启动音频指示器。
  - ▶ 仪器初始化时
  - ▶ 启动运行时
  - ▶ 发生某些错误时
  - ▶ 需要用户交互时
  - ▶ 运行完成时
- 5 选择 **Save**（保存）保存设置，进入后续屏幕。

## 设置自定义配方选项

- 1 从“Home（主页）”屏幕中，选择 **Manage Instrument**（管理仪器）。
- 2 选择 **System Customization**（系统自定义）。
- 3 选中 **Enable Custom Recipes**（启用自定义配方）复选框，以允许在装入试剂夹盒时选择自定义配方。  
有关详细信息，请参见 [自定义配方和配方文件夹](#)（第 44 页）。
- 4 选择 **Save**（保存）保存设置，进入后续屏幕。

## 设置 BaseSpace 仪器软件更新检查

- 1 从“Home（主页）”屏幕中，选择 **Manage Instrument**（管理仪器）。
- 2 选择 **System Customization**（系统自定义）。
- 3 选中 **Automatically check for new software updates on BaseSpace**（自动检查 BaseSpace 上的新软件更新）复选框，以启用 BaseSpace Sequence Hub 更新自动检查。  
更新自动检查每隔 24 小时执行一次。有可用更新时，以下位置会显示通知。
  - ▶ “Manage Instrument（管理仪器）”屏幕上的“Software Update（软件更新）”图标。
  - ▶ “Home（主页）”屏幕上的“Manage Instrument（管理仪器）”按钮。
- 4 选择 **Save**（保存）保存设置，进入后续屏幕。

## 设置发送仪器性能数据选项

- 1 从“Home（主页）”屏幕中，选择 **Manage Instrument**（管理仪器）。
- 2 选择 **System Customization**（系统自定义）。
- 3 选择 **Send Instrument Performance Data to Illumina**（将仪器性能数据发送给 Illumina）以启用 Illumina Proactive 监控服务。软件界面中的设置名称可能会与本指南中的名称有所不同，具体取决于所使用的 NCS 版本。  
如果打开此设置，即将将仪器性能数据发送给 Illumina。此数据可帮助 Illumina 更轻松地进行故障诊断以及检测潜在的故障，从而实现预防性维护并最大限度延长仪器正常运行时间。有关此服务各项优点的详细信息，请参见《Illumina Proactive 技术说明》（文档号 1000000052503）。  
此服务：
  - ▶ 不发送测序数据。
  - ▶ 要求将仪器连接到可访问互联网的网络。
  - ▶ 默认情况下处于打开状态。要想取消此服务，请禁用 **Send Instrument Performance Data to Illumina**（将仪器性能数据发送给 Illumina）设置。
- 4 选择 **Save**（保存）保存设置，进入后续屏幕。

## 自定义运行设置

控制软件包括若干自定义设置，用于指定运行设置首选项以及清除未使用的试剂。

### 设置运行设置选项

- 1 从“Home（主页）”屏幕中，选择 **Manage Instrument**（管理仪器）。
- 2 选择 **System Customization**（系统自定义）。
- 3 选中 **Use Advanced Load Consumables**（使用高级装入耗材）复选框，以启用从一个屏幕装入所有运行耗材的选项。
- 4 选中 **Skip Pre-Run Check Confirmation**（跳过运行前检查确认）复选框，以在成功完成自动检查后自动启动测序或扫描。
- 5 选择 **Save**（保存）保存设置并退出该屏幕。

### 设置自动清除选项

- 1 从“Home（主页）”屏幕中，选择 **Manage Instrument**（管理仪器）。
- 2 选择 **System Customization**（系统自定义）。
- 3 选中 **Purge Consumables at End of Run**（运行结束时清除耗材）复选框，以便在每次运行后自动将未使用的试剂从试剂夹盒清除到废试剂容器中。



#### 注意

自动清除耗材会导致工作流程时间增加。

- 4 选择 **Save**（保存）保存设置并退出该屏幕。

## 用户自备的耗材和设备

NextSeq 550 上使用以下耗材和设备。

## 测序所需的耗材

耗材	供应商	用途
1 摩尔/升 NaOH (氢氧化钠)	一般实验室供应商	文库变性，稀释到 0.2 摩尔/升
酒精棉片，70% 异丙醇 或 70% 乙醇	VWR，商品目录号 95041-714 (或等效物) 一般实验室供应商	流动槽清洁和一般用途
低尘实验室棉巾纸	VWR，商品目录号 21905-026 (或等效物)	流动槽清洁

## 用于维护和故障诊断的耗材

耗材	供应商	用途
NaOCl, 5% (次氯酸钠)	Sigma-Aldrich，商品目录号 239305 (或实验室级等效物)	通过运行后手动清洗功能来清洗仪器；稀释到 0.12%
Tween 20	Sigma-Aldrich，商品目录号 P7949	通过手动清洗选项来清洗仪器；稀释到 0.05%
实验室级用水	一般实验室供应商	清洗仪器（手动清洗）
100 毫升瓶装试剂或分光光度级甲 醇或异丙醇酒精 (99%)	一般实验室供应商	定期清洁光学组件，以及向物镜清洁夹盒补充 清洁剂
空气过滤器	Illumina，商品目录号 20022240	针对配备空气过滤器（可从后面板接触到）的 仪器。对进入仪器用于冷却的空气进行清洁。

## 实验室级用水准则

始终使用实验室级用水或去离子水来执行仪器操作。切勿使用自来水。请仅使用以下等级的水或等效物：

- ▶ 去离子水
- ▶ Illumina PW1
- ▶ 18 兆欧 (MΩ) 水
- ▶ 高纯水
- ▶ 超纯水
- ▶ 分子生物学级用水

## 设备

物品	来源	用途
冰柜，-25°C 到 -15°C，无霜	一般实验室供应商	存储夹盒
冰桶	一般实验室供应商	暂存文库
冰箱，2°C 到 8°C	一般实验室供应商	存储流动槽

# 第 3 章 测序

简介 .....	13
使用 Local Run Manager 软件创建运行 .....	14
使用 NCS 创建运行 .....	14
准备试剂夹盒 .....	14
准备流动槽 .....	15
制备测序文库 .....	16
设置测序运行 .....	16
监控运行进度 .....	22
运行后自动清洗 .....	24

## 简介

要在 NextSeq 550 上执行测序运行，请准备试剂夹盒和流动槽。然后按照软件提示设置和启动运行。簇生成和测序是在仪器内执行的。运行之后，系统会使用已装入仪器的组件自动开始清洗仪器。

## 簇生成

在簇生成期间，单个 DNA 分子会结合到流动槽的表面，然后进行扩增以形成簇。

## 测序

使用特定于每个荧光标记的链终止子的双通道测序化学过程和过滤镜组合对簇进行成像。当对流动槽上的一个小区完成成像后，随即会对下一个小区进行成像。此过程会针对测序的每个循环重复进行。图像分析之后，软件会执行碱基检出、过滤和质量评分。

在以下位置监控运行进度和统计信息。

- ▶ NCS 界面
- ▶ BaseSpace Sequence Hub
- ▶ Local Run Manager
- ▶ 使用 Sequencing Analysis Viewer (SAV) 软件的联网计算机。请参见 *Sequencing Analysis Viewer* (第 23 页)。

## 分析

在运行进行时，控制软件会自动将碱基检出 (BCL) 文件传送到 BaseSpace Sequence Hub、Local Run Manager 或其他指定的输出位置，以进行二级分析。

有多种分析方法可用，具体取决于您的应用。有关详细信息，请参见 *BaseSpace 帮助* 或 《*Local Run Manager 软件指南*》(文档号 100000002702)。

## 测序运行持续时间

测序运行持续时间取决于执行的循环次数。持续时间最长的运行为每个片段 150 次循环的双末端测序运行 (2 x 150)，再加上两个标签片段各最多 10 次循环。

有关预期的持续时间和其他系统规格，请访问 Illumina 网站上的 [NextSeq 550 规格页面](#)。

## 一个片段中的循环次数

在一个测序运行中，一个片段中执行的循环次数比分析的循环次数多 1 次。例如，双末端测序 150 次循环运行会执行两个 151 次循环片段 (2 x 151)，总共 302 次循环。运行结束时，会分析 2 x 150 个循环。额外多出的这个循环用于定相和预定相计算。

## 使用 Local Run Manager 软件创建运行

在 Local Run Manager 中设置运行和分析参数的流程有所不同，具体视您使用的特定分析工作流程模块而定。有关如何创建运行的具体说明，请参见 Local Run Manager 模块指南。

- 1 在“Home（主页）”屏幕中，选择 **Edit Runs**（编辑运行）。
- 2 从 Local Run Manager 仪表板中选择 **Create Run**（创建运行），然后选择分析模块。
- 3 输入运行名称和运行的样品，并导入清单（如适用）。
- 4 保存运行并关闭 Local Run Manager 仪表板窗口。

如果要在未安装 Local Run Manager 软件的情况下在 NCS 中创建运行，请使用手动运行模式。请参见 [使用 NCS 创建运行](#)（第 14 页）和 [运行模式](#)（第 17 页）。

## 使用 NCS 创建运行

如果您使用 NCS 创建运行（手动运行模式），需要先输入运行和分析参数，然后立即装入流动槽。

- 1 检查在 [NCS 中输入运行和分析参数（手动运行模式）](#)（第 18 页）中要求填写的运行和分析参数。
- 2 立即确定运行和分析参数，以防启动测序运行时出现延迟。

## 准备试剂夹盒

- 1 取出在 -25°C 到 -15°C 的环境中存储的试剂夹盒。
- 2 放入装有室温清水的水槽中，直至解冻成功（大约 60 分钟）。请勿浸泡整个夹盒。
- 3 在工作台上轻敲夹盒，去除其底部的水分，然后擦干夹盒底部。

**[备用方案]** 将试剂整晚放置在 2°C 至 8°C 的温度下解冻。试剂最少需要 18 个小时才能解冻。在此温度下，试剂最长可以稳定存放一周。

- 4 将夹盒翻转五次以混匀试剂。
- 5 检查位置 29、30、31 和 32 处，确保试剂均已解冻。

- 6 在工作台上轻敲夹盒以减少气泡。



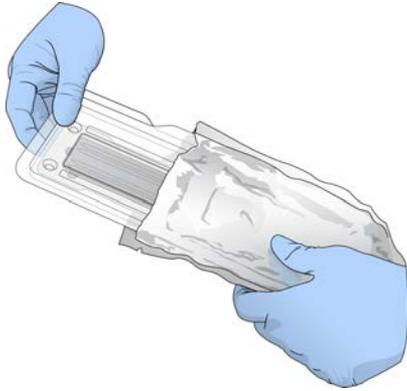
**警告**

这组试剂含有潜在危险化学品。吸入、摄取、皮肤接触和眼睛接触都会对身体造成伤害。请穿戴防护装备，包括适合的护目用具、手套和实验室工作服以避免伤害。将废试剂作为化学废物处理，并根据适用的区域、国家和当地法律及法规丢弃。有关环境、健康和安全的更多信息，请参见 [support.illumina.com/sds.html](http://support.illumina.com/sds.html) 中的 SDS。

## 准备流动槽

- 1 从 2°C 到 8°C 的存储环境中取出新的流动槽包装。
- 2 打开箔纸包装，取出流动槽。

图 10 从箔纸包装中取出



- 3 将拆封的流动槽包装置于室温下 30 分钟。



**注意**

如果箔纸包装完整无损，流动槽可在室温下保留 12 个小时之久。请避免重复冷却和预热流动槽。

- 4 打开透明的塑料翻盖盒，取出流动槽。

图 11 从翻盖盒中取出



- 5 使用无绒酒精棉清洁流动槽的玻璃表面。使用低尘实验室棉巾纸擦干玻璃。

## 制备测序文库

文库剂量和装入浓度因您运行的 NCS 版本而异。

Control Software 版本	文库剂量	文库浓度
NCS 1.3 或更高版本	1.3 ml	1.8 pM
NCS 1.2 或更高版本	3 ml	3 pM

## 变性和稀释文库

对文库进行变性及稀释，以达到以下装入剂量和浓度。

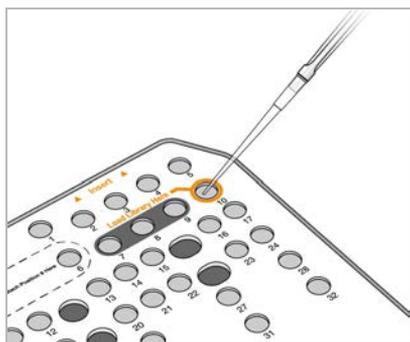
试剂盒类型	装入剂量	装入浓度
高输出	1.3 ml	1.8 pM
中等输出	1.3 ml	1.5 pM

在具体操作时，装入浓度会因文库制备和定量方法而异。有关说明，请参见《NextSeq 系统变性和稀释文库指南》（文档号 15048776）。

## 将文库装入试剂夹盒

- 1 使用无尘棉巾纸将标有 **Load Library Here**（在此处装入文库）的槽 10 封箔口擦拭干净。
- 2 使用干净的 1 毫升移液器吸头刺穿封箔口。
- 3 将制备的 1.3 毫升 1.8 皮摩尔/升文库装入标有 **Load Library Here**（在此处装入文库）的槽 10 中。装入文库时，避免碰到封箔口。

图 12 装入文库



## 设置测序运行

- 1 在“Home（主页）”屏幕中，选择 **Experiment**（实验）。
- 2 在“Select Assay（选择实验分析方法）”屏幕上，选择 **Sequence**（测序）。  
测序命令会打开成像仓门，排空上次运行剩余的耗材，然后打开一系列运行设置屏幕。短暂延迟属于正常现象。

## 运行模式

设置测序运行时，您需要选择以下其中一种运行模式，以决定输入运行信息的位置以及分析数据的方式。

运行模式	运行信息	数据分析*
Local Run Manager	在 Local Run Manager 中输入。	软件将数据保存到指定的输出文件夹，以便在 Local Run Manager 中自动分析。
手动	在 NCS 中输入。	软件将数据保存到指定的输出文件夹，以便稍后在仪器外部进行分析。

\*出于分析的目的，BaseSpace Sequence Hub 可以与任一种运行模式搭配使用。当运行模式为 Local Run Manager 并且配置了 BaseSpace Sequence Hub 时，两个应用程序都会分析数据。

默认运行模式为 Local Run Manager，该运行模式提供最精简的工作流程。您将在 Local Run Manager 中创建和保存运行。相应信息随即会发送到控制软件，以便您在控制软件中选择运行和继续设置运行参数。测序后，Local Run Manager 会自动执行数据分析。不需要单独的样品表和分析应用程序。



### 注意

Local Run Manager 不是控制软件的一项功能。它是一款集成软件，可记录用于测序的样品、指定运行参数及分析数据。

## BaseSpace Sequence Hub（可选）

设置测序运行时，您可以选择以下其中一个 BaseSpace Sequence Hub 选项。

选项	描述和要求
Run Monitoring and Storage（运行监控和存储）	将 InterOp 文件、日志文件和运行数据发送到 BaseSpace Sequence Hub，以便进行远程监控和分析。 需要 BaseSpace Sequence Hub 帐户、互联网连接和样品表。
Run Monitoring Only（仅运行监控）	将 InterOp 和日志文件发送到 BaseSpace Sequence Hub，以便远程运行监控。此选项是默认选项。 需要 BaseSpace Sequence Hub 帐户和互联网连接。

## 选择运行模式和 BaseSpace Sequence Hub

- 在“Run Setup（运行设置）”屏幕中，选择以下其中一种运行模式。
  - ▶ Local Run Manager
  - ▶ 手动
- [可选]** 选择 **Use BaseSpace Sequence Hub Setting**（使用 BaseSpace Sequence Hub 设置），然后选择下面其中一项。
  - ▶ Run Monitoring and Storage（运行监控和存储）
  - ▶ Run Monitoring Only（仅运行监控）
 输入您的 BaseSpace Sequence Hub 用户名和密码。  
如有提示，请选择运行数据要上载到的工作组。只有当您属于多个工作组时才会收到提示。
- 选择 **Next**（下一步）。

## 选择运行（Local Run Manager 运行模式）

- 从可用的运行列表选择一个运行名称。  
使用向上和向下箭头滚动浏览列表，或在“Search（搜索）”字段中输入运行名称。
- 确认运行参数。

- ▶ **Run Name** (运行名称) — Local Run Manager 中分配的运行名称。
  - ▶ **Library ID** (文库 ID) — Local Run Manager 中分配的混合文库名称。
  - ▶ **Recipe** (配方) — 配方名称, **NextSeq High** (NextSeq 高) 或 **NextSeq Mid** (NextSeq 中等), 取决于用于运行的试剂夹盒。
  - ▶ **Read Type** (片段类型) — 单端或双末端。
  - ▶ **Read Length** (片段长度) — 每个片段的循环次数。
  - ▶ **[可选]** 自定义引物 (如适用)。
- 3 **[可选]** 选择 **Edit** (编辑) 图标更改运行参数。完成后, 选择 **Save** (保存)。
- ▶ **Run parameters** (运行参数) — 更改片段数量或每个片段的循环次数。
  - ▶ **Custom primers** (自定义引物) — 更改自定义引物设置。有关详细信息, 请参见《*NextSeq 自定义引物指南*》(文档号 15057456)。
  - ▶ **Purge consumables for this run** (清除此运行的耗材) — 将设置更改为在当前运行完毕后自动清除耗材。
- 4 选择 **Next** (下一步)。

## 在 NCS 中输入运行和分析参数 (手动运行模式)

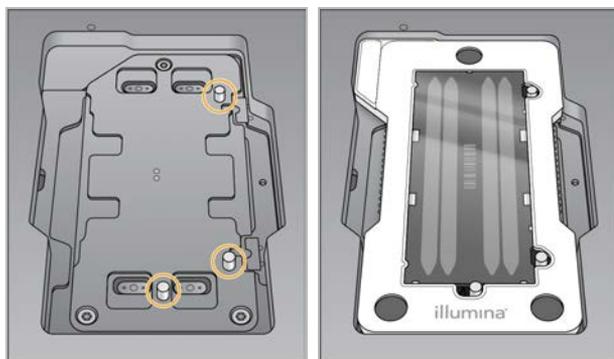
- 1 输入您偏好的运行名称。
- 2 **[可选]** 输入您偏好的文库 ID。
- 3 从“Recipe (配方)”下拉列表中选择配方。列表中只会列出兼容的配方。
- 4 选择片段类型: **Single-Read** (单端) 或 **Paired-End** (双末端)。
- 5 输入测序运行中每个片段的循环次数。
  - ▶ **Read 1 (片段 1)** — 输入不超过 151 次循环的值。
  - ▶ **Read 2 (片段 1)** — 输入不超过 151 次循环的值。此值通常等于片段 1 的循环次数。
  - ▶ **Index 1 (标签 1)** — 输入标签 1 (i7) 引物所需的循环次数。
  - ▶ **Index 2 (标签 2)** — 输入标签 2 (i5) 引物所需的循环次数。
 控制软件会按照以下标准确认您的输入:
  - ▶ 总循环次数不超过允许的最大循环次数
  - ▶ 片段 1 的循环次数大于用于生成模板的 5 次循环
  - ▶ 标签片段循环次数不超过片段 1 和片段 2 的循环次数
- 6 **[可选]** 如果您使用的是自定义引物, 请选中所使用的引物对应的复选框。有关详细信息, 请参见《*NextSeq 自定义引物指南*》(文档号 15057456)。
  - ▶ **Read 1 (片段 1)** — 片段 1 的自定义引物。
  - ▶ **Read 2 (片段 2)** — 片段 2 的自定义引物。
  - ▶ **Index 1 (标签 1)** — 标签 1 的自定义引物。
  - ▶ **Index 2 (标签 2)** — 标签 2 的自定义引物。
- 7 设置当前运行的输出文件夹位置。选择 **Browse** (浏览) 导航到网络位置。有关输出文件夹要求的信息, 请参见 [设置输出文件夹位置 \(第 47 页\)](#)。
- 8 选择 **Browse** (浏览) 以导航至样品表。  
在 BaseSpace Sequence Hub 中将系统配置为用于手动模式及“Run Monitoring and Storage (运行监控和存储)”时, 需要提供样品表。
- 9 选择 **Purge consumables for this run** (清除此运行的耗材)。  
此设置会在当前运行后自动清除耗材。
- 10 选择 **Next** (下一步)。

- 11 [可选] 选择“Edit（编辑）”图标更改运行参数。
- 12 选择 Next（下一步）。

## 装入流动槽

- 1 取出上次运行用过的流动槽。
- 2 按对准针对准流动槽，并将流动槽放在槽台上。

图 13 装入流动槽



- 3 选择 Load（装入）。  
仓门会自动关闭，屏幕上会显示流动槽 ID，并且系统已检查传感器。
- 4 选择 Next（下一步）。

## 清空废试剂容器

- 1 取出废试剂容器并根据适用标准处置溶液。

图 14 取出废试剂容器



### 注意

取出容器时，请用另一只手托住容器，以便持稳。

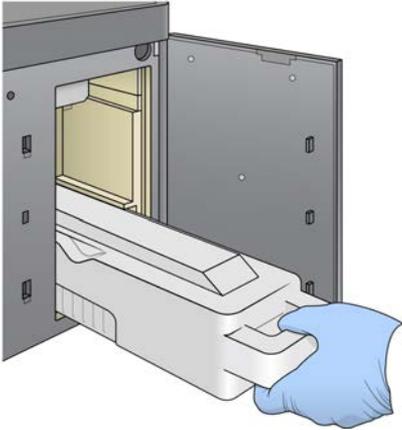


**警告**

这组试剂含有潜在危险化学品。吸入、摄取、皮肤接触和眼睛接触都会对身体造成伤害。请穿戴防护装备，包括适合的护目用具、手套和实验室工作服以避免伤害。将废试剂作为化学废物处理，并根据适用的区域、国家和当地法律及法规丢弃。有关环境、健康和安全的更多信息，请参见 [support.illumina.com/sds.html](http://support.illumina.com/sds.html) 中的 SDS。

- 2 将清空的废试剂容器滑入缓冲液仓，直至停下。容器放置到位时，会发出咔哒声。

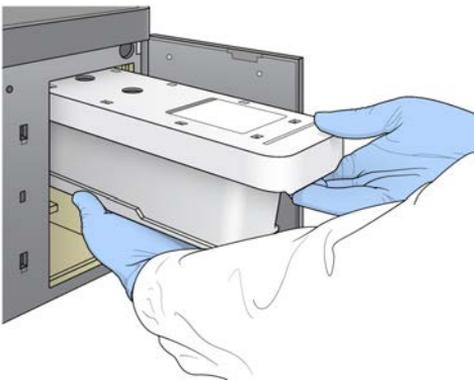
图 15 装入清空的废试剂容器



## 装入缓冲液夹盒

- 1 从上面的仓中取出用过的缓冲液夹盒。
- 2 将新缓冲液夹盒滑入缓冲液仓，直至其停止不动。夹盒移到位时，会发出咔哒声。屏幕上会显示缓冲液夹盒 ID，并且系统已检查传感器。

图 16 装入缓冲液夹盒



- 3 合上缓冲液仓门，并选择 **Next**（下一步）。

## 装入试剂夹盒

- 1 从试剂仓中取出废试剂夹盒。按照适用的标准处置未使用的溶液。



### 警告

这组试剂含有潜在危险化学品。吸入、摄取、皮肤接触和眼睛接触都会对身体造成伤害。请穿戴防护装备，包括适合的护目用具、手套和实验室工作服以避免伤害。将废试剂作为化学废物处理，并根据适用的区域、国家和当地法律及法规丢弃。有关环境、健康和安全的更多信息，请参见 [support.illumina.com/sds.html](http://support.illumina.com/sds.html) 中的 SDS。

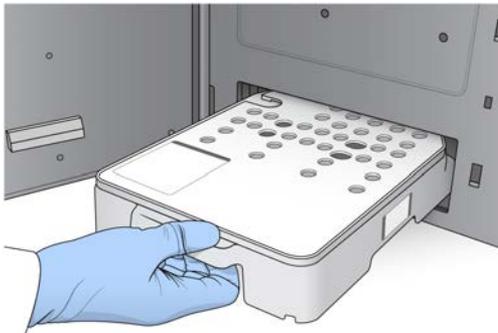


### 注意

为了便于安全处理废试剂，位置 6 处的槽是可拆卸的。有关详细信息，请参见 [取下位置 6 处用过的槽](#) (第 21 页)。

- 2 将试剂夹盒滑入试剂仓，直至其停止不动，然后关闭试剂仓门。

图 17 装入试剂夹盒

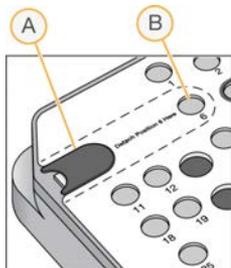


- 3 选择 **Load** (装入)。  
软件会自动将夹盒移动到位 (约 30 秒钟)，屏幕上会显示试剂夹盒 ID，并且系统已检查传感器。
- 4 选择 **Next** (下一步)。

## 取下位置 6 处用过的槽

- 1 将用过的试剂夹盒从仪器中取出之后，取下位置 6 旁插槽上方的橡胶防护盖。

图 18 可取下的位置 6 处



- A 橡胶防护盖
- B 位置 6 处

- 2 往下按透明塑料垂片，然后向左推使槽弹出。
- 3 按照适用的标准处置槽。

## 查看自动检查信息

软件会对系统执行自动检查。在检查期间，屏幕上会显示以下指示器：

- ▶ **灰色对勾**  — 尚未执行检查。
- ▶ **进度图标**  — 正在进行检查。
- ▶ **绿色对勾**  — 检查已通过。
- ▶ **红色 X**  — 检查未通过。如有任何项目未通过，则需要先执行一项操作后才能继续。请参见[解决自动检查错误](#)（第 38 页）。

要停止正在进行的自动检查，请选择右下角的  图标。要重新启动检查，请选择  图标。检查会从第一处未完成或未通过检查的地方继续。

要查看某一类别各项检查的结果，请选择  图标展开该类别。



### 注意

使用 NCS 4.0 或更高版本执行第一次测序运行时，在系统自动检查过程中，流动槽配准往往要花费 15 分钟以上的时间。

## 启动运行

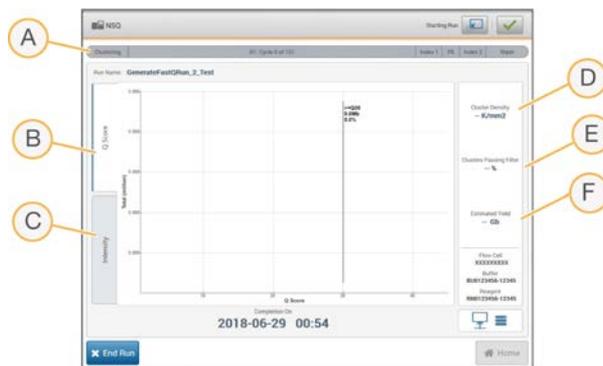
自动检查完成后，选择 **Start**（开始）。测序运行随即开始。

要将系统配置为在成功完成检查后自动启动运行，请参见[设置运行设置选项](#)（第 11 页）。

## 监控运行进度

- 1 监控运行进度、强度和分值，这些指标会显示在屏幕上。

图 19 测序运行进度和指标



- A **Run progress**（运行进度）— 显示当前步骤和为每个片段完成的循环次数。进度条与每个步骤的运行进度不成比例。请根据右上角的剩余时间确定实际持续时间。
- B **Q-Score** — 显示质量分值 (Q-score) 的分布。请参见[质量评分](#)（第 52 页）。
- C **Intensity**（强度）— 显示每个小区的第 90 个百分点的簇强度值。图的颜色表示每个碱基：红色表示 A，绿色表示 C，蓝色表示 G，黑色表示 T。这些颜色与 Sequencing Analysis Software (SAV) 中所用的碱基指示器一致。
- D **Cluster Density**（簇密度）（克/平方毫米）— 显示为运行检测到的簇数。
- E **Clusters Passing Filter**（簇通过过滤）(%) — 显示簇通过过滤的百分比。请参见[簇通过过滤](#)（第 51 页）。
- F **Estimated Yield**（估计的产量）(Gb) — 显示预计运行会生成的碱基数。

**注意**

选择“Home（主页）”之后，无法再返回查看运行指标。不过，您可以在 BaseSpace Sequence Hub 中访问运行指标，或在独立计算机上使用 Sequencing Analysis Viewer (SAV) 查看运行指标。

## 出现运行指标的循环

运行指标会在运行的不同时间点显示。

- ▶ 簇生成步骤期间不显示指标。
- ▶ 前五次循环会保留，用于生成模板。
- ▶ 第 25 次循环后显示运行指标，包括簇密度、簇通过过滤、产量和质量分值。

## 数据传输

根据所选的分析配置，运行期间屏幕上会显示图标来指示数据传输状态。

状态	Local Run Manager	输出文件夹	Illumina BaseSpace Sequence Hub
已连接			
已连接且正在传输数据			
连接断开			
已禁用			

如果数据传输在运行期间中断，数据会临时存储在仪器计算机上。系统会在恢复连接后自动继续传输数据。如果运行结束之前连接未恢复，请在开始后续运行之前，从仪器计算机手动删除数据。

## Universal Copy Service

NextSeq 系统软件套装包含 Universal Copy Service。RTA v2 会请求该服务将文件从源位置复制到目标位置，并按接收顺序处理复制请求。如果发生例外情况，系统会根据复制队列中的文件数量对文件重新排队进行复制。

## Sequencing Analysis Viewer

Sequencing Analysis Viewer 软件显示运行期间生成的测序指标。根据 RTA 生成以及写入 InterOp 文件的数据，这些指标可以图表、图形和表格的形式显示。运行不断进行的过程中，指标会相应地更新。运行期间，您随时可选择 **Refresh**（刷新）来查看更新的指标。有关详细信息，请参见《*Sequencing Analysis Viewer 用户指南*》（部件号 15020619）。

仪器计算机上已预安装 Sequencing Analysis Viewer 软件。您也可以在另一台连接到该仪器所在网络的计算机上安装 Sequencing Analysis Viewer，以便远程监控运行指标。

## 运行后自动清洗

测序运行完成后，软件会启动运行后自动清洗。运行后清洗使用缓冲液夹盒中提供的清洗液和试剂夹盒中提供的 NaOCl。

运行后自动清洗大约需要 90 分钟。清洗完成后，**Home**（主页）按钮将变为可用。在清洗期间，测序结果仍会显示在屏幕上。

## 清洗后

清洗后，吸管仍保持在向下位置，避免空气进入系统。在下次运行之前，请保持夹盒的位置不变。

# 第 4 章扫描

简介 .....	25
下载 DMAP 文件夹 .....	25
将 BeadChip 装入转接器 .....	26
设置扫描 .....	27
监控扫描进度 .....	29

## 简介

在 NextSeq 550 上执行扫描之前，您需要准备以下运行组件：

- ▶ 已杂交并染色的 BeadChip
- ▶ 可重复使用的 BeadChip 转接器
- ▶ 所使用的 BeadChip 的 Decode map (DMAP) 文件
- ▶ 所使用的 BeadChip 的清单文件
- ▶ 所使用的 BeadChip 的簇文件

扫描期间会生成输出文件，之后这些文件会排队传输到指定的输出文件夹。

请使用 BlueFuse Multi 软件执行分析，该软件要求以基因型检出 (GTC) 文件格式提供该扫描数据。默认情况下，NextSeq 550 会生成标准化数据以及 GTC 文件格式的关联基因型检出。此外，您也可以配置仪器以生成额外的强度数据 (IDAT) 文件。有关详细信息，请参见 [BeadChip 扫描配置 \(第 48 页\)](#)。

## Decode File Client

DMAP 文件夹中的信息可用于识别 BeadChip 上的微珠位置，并量化与每个微珠相关联的信号。DMAP 文件夹对每个 BeadChip 条形码都是唯一的。

您可以使用 Decode File Client 实用程序通过标准 HTTP 协议直接从 Illumina 服务器下载 DMAP 文件夹。

要获取 Decode File Client，请前往 Illumina [网站](#)上的 [Decode File Client 支持页面](#)。将 Decode File Client 安装到可以访问 DMAP 文件夹网络位置的计算机上。

有关详细信息，请参见 [下载 DMAP 文件夹 \(第 25 页\)](#)。

## 清单文件和簇文件

对于每个 BeadChip，软件需要能够访问清单文件和簇文件。每个清单文件和簇文件对同一类 BeadChip 都是唯一的。请确保您使用的簇文件的文件名中含有 NS550。这些文件与 NextSeq 系统兼容。

- ▶ **清单文件** — 清单文件描述 BeadChip 上的 SNP 或探针内容。清单文件采用 BPM 文件格式。
- ▶ **簇文件** — 簇文件描述 Illumina 基因分型阵列的簇位置，用于分析数据以执行基因型检出。簇文件采用 EGT 文件格式。

文件位置在“BeadChip Scan Configuration (BeadChip 扫描配置)”屏幕中指定。在 NCS 的“Home (主页)”屏幕中，依次选择 **Manage Instrument** (管理仪器)、**System Configuration** (系统配置) 和 **BeadChip Scan Configuration** (BeadChip 扫描配置)。

Illumina 代表会在安装 NextSeq 550 仪器时下载这些文件，并在控制软件中指定路径。除非文件丢失或有新的版本可用，否则不需要更改这些文件。有关详细信息，请参见 [更换清单文件和簇文件 \(第 43 页\)](#)。

## 下载 DMAP 文件夹

您可以使用 Decode File Client 按帐户或 BeadChip (默认视图) 访问 DMAP 文件夹。

## 按帐户访问 DMAP 文件夹

- 1 从 Decode File Client 的主选项卡上，选择一个下载选项：
  - ▶ AutoPilot
  - ▶ 尚未下载的所有 BeadChip
  - ▶ 所有 BeadChip
  - ▶ BeadChip（按采购订单）
  - ▶ BeadChip（按条形码）
- 2 输入所需的信息。
- 3 找到要下载的 DMAP 文件夹。
- 4 确保下载目的地有足够的可用空间。
- 5 开始下载。在“Download Status and Log（下载状态和日志）”选项卡上查看下载状态。
- 6 将 DMAP 文件夹保存到指定的 DMAP 文件夹位置。

## 按 BeadChip 访问 DMAP 文件夹

- 1 结合使用以下其中两个选项来识别 BeadChip：
  - ▶ BeadChip 条形码
  - ▶ BeadChip 盒 ID
  - ▶ 采购订单号
  - ▶ 销售订单号
- 2 找到要下载的 DMAP 文件夹。
- 3 确保下载目的地有足够的可用空间。
- 4 开始下载。在“Download Status and Log（下载状态和日志）”选项卡上查看下载状态。
- 5 将 DMAP 文件夹保存到指定的 DMAP 文件夹位置。

## 将 BeadChip 装入转接器

- 1 按下转接器固定夹。夹子向后稍微倾斜即可打开。
- 2 捏在 BeadChip 的边上（条形码一端靠近固定夹）将 BeadChip 放在转接器的凹槽中。

图 20 将 BeadChip 装入转接器



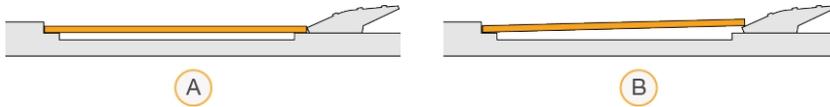
- 3 使用 BeadChip 两侧的开口，确保 BeadChip 固定在转接器的凹槽中。

图 21 放置并固定 BeadChip



- 4 轻轻松开固定夹，以便固定 BeadChip。
- 5 从一边检查 BeadChip，确保 BeadChip 平贴在转接器表面。必要时调整 BeadChip 的位置。

图 22 检查 BeadChip 的位置



- A 位置正确 — 松开固定夹时，BeadChip 平贴在转接器表面。  
 B 位置错误 — 松开固定夹时，BeadChip 没有平贴在转接器表面。

## 设置扫描

- 1 从“Home（主页）”屏幕中，依次选择 **Experiment**（实验）和 **Scan**（扫描）。  
 扫描命令会打开成像仓门，排空上次运行剩余的耗材（如有），然后打开一系列扫描设置屏幕。短暂延迟属于正常现象。

## 取出测序耗材

如果您设置扫描时存在用过的测序耗材，软件会提示您先取出试剂夹盒和缓冲液夹盒，然后再继续下一步骤。

- 1 如果出现提示，请取出上次测序运行使用过的测序耗材。
  - a 从试剂仓中取出试剂夹盒。按照适用的标准处置未使用的溶液。
  - b 从缓冲液仓中取出使用过的缓冲液夹盒。



### 警告

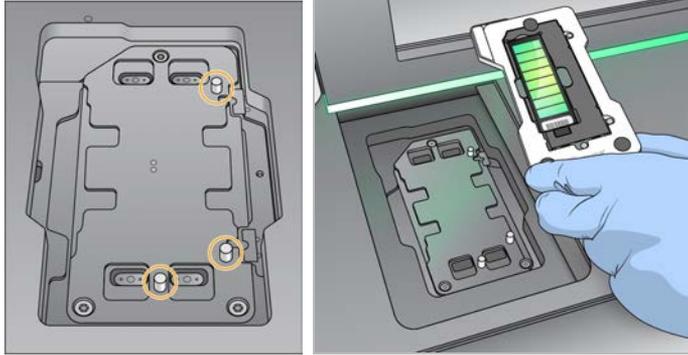
这组试剂含有潜在危险化学品。吸入、摄取、皮肤接触和眼睛接触都会对身体造成伤害。请穿戴防护装备，包括适合的护目用具、手套和实验室工作服以避免伤害。将废试剂作为化学废物处理，并根据适用的区域、国家和当地法律及法规丢弃。有关环境、健康和安全的更多信息，请参见 [support.illumina.com/sds.html](http://support.illumina.com/sds.html) 中的 SDS。

- 2 关闭试剂仓门和缓冲液仓门。

## 装入 BeadChip 转接器

- 1 使用对准针确定 BeadChip 转接器在槽台上的位置。

图 23 装入 BeadChip 转接器



## 2 选择 Load (装入)。

仓门会自动关闭，屏幕上会显示 BeadChip ID，系统还会检查传感器。短暂延迟属于正常现象。如果无法读取 BeadChip 条形码，系统会显示一个对话框，供您手动输入条形码。请参见 [软件无法读取 BeadChip 条形码 \(第 42 页\)](#)。

## 3 选择 Next (下一步)。

## 扫描设置

### 1 在“Scan Setup (扫描设置)”屏幕上，确认下列信息：

- ▶ **Barcode (条形码)** — 装入 BeadChip 之后，软件会读取 BeadChip 条形码。如果条形码是手动输入的，则会显示“Edit (编辑)”按钮，以便进行更改。
- ▶ **Type (类型)** — 系统会根据 BeadChip 条形码自动填充 BeadChip 类型字段。
- ▶ **DMAP Location (DMAP 位置)** — DMAP 文件夹位置在“BeadChip Scan Configuration (BeadChip 扫描配置)”屏幕上指定。如果只想为当前扫描更改位置，请选择 **Browse (浏览)**，然后导航到正确位置。
- ▶ **Output Location (输出位置)** — 输出位置在“BeadChip Scan Configuration (BeadChip 扫描配置)”屏幕上指定。如果只想为当前扫描更改位置，请选择 **Browse (浏览)**，然后导航到首选位置。

### 2 选择 Next (下一步)。

## 查看自动检查信息

软件会对系统执行自动检查。在检查期间，屏幕上会显示以下指示器：

- ▶ **灰色对勾** — 尚未执行检查。
- ▶ **进度图标** — 正在进行检查。
- ▶ **绿色对勾** — 检查已通过。
- ▶ **红色 X** — 检查未通过。如有任何项目未通过，则需要先执行一项操作后才能继续。请参见 [解决自动检查错误 \(第 38 页\)](#)。

要停止正在进行的自动检查，请选择右下角的 图标。要重新启动检查，请选择 图标。检查会从第一处未完成或未通过检查的地方继续。

要查看某一类别各项检查的结果，请选择 图标展开该类别。



### 注意

使用 NCS 4.0 或更高版本执行第一次测序运行时，在系统自动检查过程中，流动槽配准往往要花费 15 分钟以上的时间。

## 启动扫描

自动检查完成后，选择 **Start**（开始）。扫描随即开始。

要将系统配置为在成功完成检查后自动启动扫描，请参见 [设置运行设置选项](#)（第 11 页）。

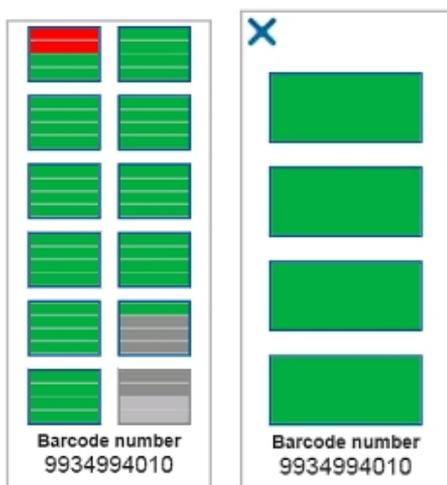
## 监控扫描进度

- 1 使用 BeadChip 图像监控扫描进度。图像上的各种颜色表示扫描状态。
  - ▶ 浅灰色 — 未扫描
  - ▶ 深灰色 — 已扫描但未配准
  - ▶ 绿色 — 已成功扫描和配准
  - ▶ 红色 — 扫描和配准均失败

如果配准失败，您可以重新扫描包含失败节段的样品。请参见 [BeadChip 扫描失败](#)（第 42 页）。

- 2 选择 BeadChip 图像可在全局视图和选定样品的详细视图之间切换。
  - ▶ 全局视图显示 BeadChip 上的样品以及各个样品内的节段。
  - ▶ 详细视图显示选定样品内的各个节段。

图 24 BeadChip 图像：全局视图和详细视图



### 注意

结束扫描操作不可逆。如果您未完成扫描就结束扫描，系统**不会**保存扫描数据。

## 数据传输

扫描完成后，数据会排队传输到扫描输出文件夹。期间数据会临时写入仪器计算机。当下一次扫描启动时，该临时文件夹会自动从仪器计算机上删除。

数据传输所需的时间取决于网络连接。在启动后续扫描之前，请确保数据均已写入输出文件夹，也就是确认条形码文件夹中存在对应的 GTC 文件。有关详细信息，请参见 [扫描输出文件夹结构](#)（第 57 页）。

如果连接中断，系统会在连接恢复后自动继续传输数据。

# 第 5 章 维护

简介 .....	30
执行手动清洗 .....	30
更换空气过滤器 .....	33
软件更新 .....	34
关闭仪器 .....	36

## 简介

维护程序包括手动清洗仪器、更换空气过滤器以及在有更新时更新系统软件。

- ▶ **仪器清洗** — 在每次测序运行后自动执行运行后清洗有助于维护仪器性能。但是在某些情况下，需要定期执行手动清洗。请参见 [执行手动清洗 \(第 30 页\)](#)。
- ▶ **软件更新** — 当系统软件有更新版本时，您可以采用以下两种方法之一安装更新。
  - ▶ 通过连接到 BaseSpace Sequence Hub 自动安装更新
  - ▶ 从 Illumina 网站下载安装程序并手动更新。请参见 [软件更新 \(第 34 页\)](#)。
- ▶ **空气过滤器更换** — 对于配备空气过滤器（可从后面板接触到）的仪器，需定期更换空气过滤器，以确保空气在仪器内外顺畅流通。

## 预防性维护

Illumina 建议您每年安排一次预防性维护服务。如果您未签订服务合同，请联系您的区域客户经理或 Illumina 技术支持部门安排收费的预防性维护服务。

## 执行手动清洗

手动清洗从“Home（主页）”屏幕中启动。清洗选项包括“Quick Wash（快速清洗）”和“Manual Post-Run Wash（运行后手动清洗）”。

清洗类型	描述
<b>快速清洗</b> 持续时间：20 分钟	使用用户以实验室级用水和 Tween 20（缓冲液清洗夹盒）自备的清洗溶液冲洗系统。 <ul style="list-style-type: none"><li>· 仪器每闲置 14 天需清洗一次，清洗时试剂夹盒和缓冲液夹盒需放置到位。</li><li>· 仪器处于干燥状态时（试剂夹盒和缓冲液夹盒已取出），每七天需清洗一次。</li><li>· 关机后需要执行。</li></ul>
<b>运行后手动清洗</b> 持续时间：90 分钟	使用用户以实验室级用水、Tween 20（缓冲液清洗夹盒）和 0.12% 的次氯酸钠（试剂清洗夹盒）自备的清洗溶液冲洗系统。 如果未进行运行后自动清洗，则需要执行此手动清洗。

执行手动清洗需要使用仪器随附的试剂清洗夹盒和缓冲液清洗夹盒，以及用过的流动槽。用过的流动槽最多可用来清洗仪器 20 次。

图 25 原样式试剂清洗夹盒和缓冲液清洗夹盒。

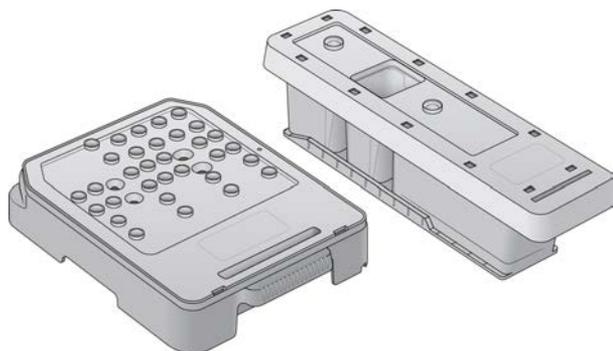
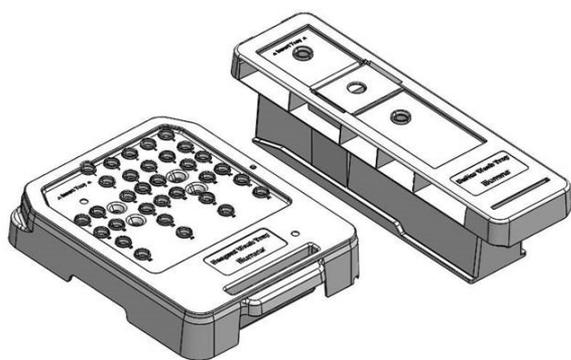


图 26 新样式试剂清洗夹盒和缓冲液清洗夹盒。



## 运行后手动清洗的准备工作

用户自备的耗材	剂量和描述
· NaOCl	1 毫升，稀释为 0.12% 装入到试剂清洗夹盒（位置 28）
· 100% Tween 20 · 实验室级用水	用于制备 125 毫升 0.05% Tween 20 清洗液 装入到缓冲液清洗夹盒（中央槽）

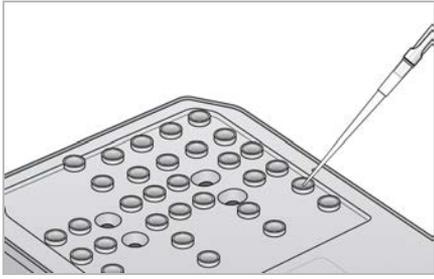


### 注意

务必使用 **24 小时内** 制备的新鲜 NaOCl 稀释液。如果您制作的量超出了 1 毫升，请将剩余的稀释液存储在 2°C 到 8°C 的温度下，以在接下来的 24 小时内使用。否则，请倒掉剩余的 NaOCl 稀释液。

- 1 在微量离心机试管中装入以下剂量的液体以制成 1 毫升 0.12% 的 NaOCl:
  - ▶ 5% NaOCl (24 微升)
  - ▶ 实验室级用水 (976 微升)
- 2 翻转试管混匀溶液。
- 3 在试剂清洗夹盒中添加 1 毫升 0.12% 的 NaOCl。正确的槽位置即预先注入溶液的夹盒上的位置 28。

图 27 装入 NaOCl



- 4 装入以下剂量的液体以制成 0.05% Tween 20 清洗液：
  - 原样式缓冲液清洗夹盒
    - ▶ 100% Tween 20 (62 微升)
    - ▶ 实验室级用水 (125 毫升)
    - ▶ 在缓冲液清洗夹盒的中央槽内加入 125 毫升清洗液。
  - 新样式缓冲液清洗夹盒
    - ▶ 100% Tween 20 (75 微升)
    - ▶ 实验室级用水 (150 毫升)
    - ▶ 在缓冲液清洗夹盒的中央槽内加入 150 毫升清洗液。
- 5 选择 **Perform Wash** (执行清洗)，然后选择 **Manual Post-Run Wash** (运行后手动清洗)。

## 快速清洗的准备工作

用户自备的耗材	剂量和描述
<ul style="list-style-type: none"> <li>· 100% Tween 20</li> <li>· 实验室级用水</li> </ul>	用于制备 40 毫升 0.05% Tween 20 清洗液 装入到缓冲液清洗夹盒 (中央槽)

- 1 装入以下剂量的液体以制成 0.05% Tween 20 清洗液：
  - ▶ 100% Tween 20 (20 微升)
  - ▶ 实验室级用水 (40 毫升)
- 2 在缓冲液清洗夹盒的中央槽内加入 40 毫升清洗液。
- 3 选择 **Perform Wash** (执行清洗)，然后选择 **Quick Wash** (快速清洗)。

## 装入用过的流动槽和清洗夹盒

- 1 如果仪器上没有用过的流动槽，请装入一个。选择 **Load** (装入)，然后选择 **Next** (下一步)。
- 2 取出废试剂容器并根据适用标准处置溶液。



### 警告

这组试剂含有潜在危险化学品。吸入、摄取、皮肤接触和眼睛接触都会对身体造成伤害。请穿戴防护装备，包括适合的护目用具、手套和实验室工作服以避免伤害。将废试剂作为化学废物处理，并根据适用的区域、国家和当地法律及法规丢弃。有关环境、健康和安全的更多信息，请参见 [support.illumina.com/sds.html](http://support.illumina.com/sds.html) 中的 SDS。

- 3 将清空的废试剂容器滑入缓冲液仓，直至停下。
- 4 如果仪器上有上次运行使用过的缓冲液夹盒，请将其取出。
- 5 装入内含清洗液的缓冲液清洗夹盒。

- 6 如果仪器上有上次运行使用过的试剂夹盒，请将其取出。
- 7 装入试剂清洗夹盒。
- 8 选择 **Next**（下一步）。清洗前检查随即自动开始。

## 启动清洗

- 1 选择 **Start**（开始）。
- 2 清洗完成后，请选择 **Home**（主页）。

## 清洗后

清洗后，吸管仍保持在向下位置，避免空气进入系统。在下次运行之前，请保持夹盒的位置不变。

## 更换空气过滤器

新系统随附三个备用空气过滤器。应将它们妥善存储，在仪器中收到更换过滤器的提示时需加以使用。

对于配备空气过滤器（可以从后面接触到）的仪器，空气过滤器应确保空气能在仪器内外顺畅流通。软件每隔 90 天会显示一条提醒更换空气过滤器的通知。出现提示时，请选择 **Remind in 1 day**（1 天后提醒），或按以下程序操作后选择 **Filter Changed**（过滤器已更换）。选择 **Filter Changed**（过滤器已更换）后，90 天倒计时即会重置。

- 1 从包装中取出新的空气过滤器，并注明将其安装到过滤器框架上的日期。
- 2 在仪器背面，向下按过滤器托架的顶部解开其锁扣。
- 3 抓住过滤器托架的顶部向上拉，将托架完全拉出仪器。
- 4 取下旧空气过滤器并丢弃。
- 5 将新空气过滤器插入到托架中。

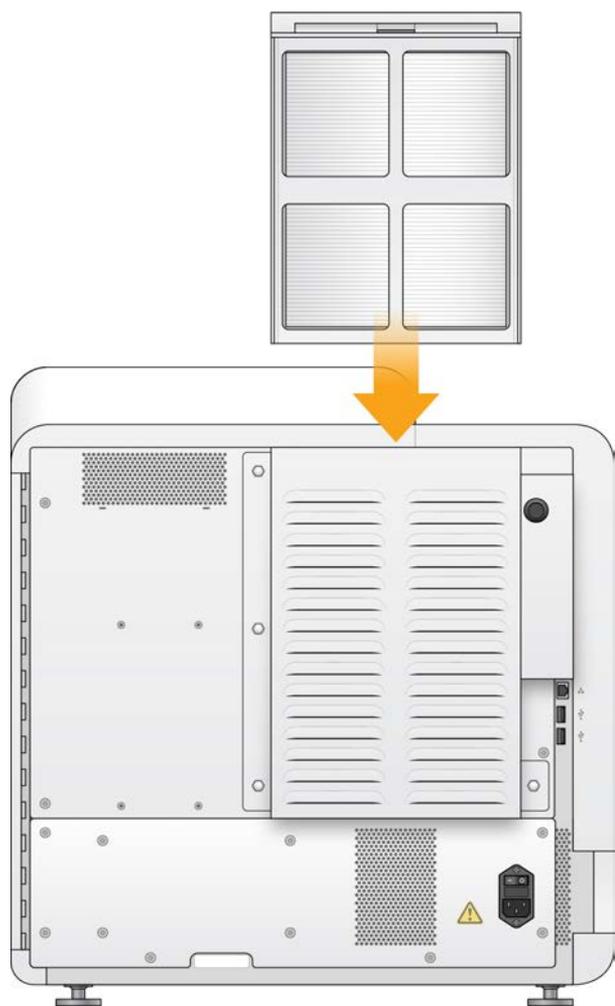


### 注意

切勿插反，否则空气过滤器将无法正常工作。确保将空气过滤器插入到托架中后，您能看到绿色的向上箭头，而不是警告标签。箭头应指向过滤器托架的手柄。

- 6 将过滤器托架滑入仪器。向下按过滤器托架的顶部，直到托架嵌入到位。

图 28 插入空气过滤器



## 软件更新

软件更新打包成一个名为“System Suite”的软件包，其中包含下列软件：

- ▶ NextSeq Control Software (NCS)
- ▶ NextSeq Recipes
- ▶ Local Run Manager 软件
- ▶ RTA2
- ▶ NextSeq Service Software (NSS)
- ▶ Universal Copy Service
- ▶ Direct Memory Access (DMA) 驱动程序

您可以使用互联网连接自动安装软件更新，也可以从网络或 USB 位置手动安装软件更新。

- ▶ **Automatic updates** (自动更新) — 如果仪器已连接到可访问互联网的网络，则当有更新可用时，“Home (主页)” 屏幕上的“Manage Instrument (管理仪器)” 按钮上会显示警报图标 。

- ▶ **Manual updates** (手动更新) — 从 Illumina 网站上的 [NextSeq 550 支持页面](#) 下载 System Suite 安装程序。如果您要执行手动更新，请确保在准备测序运行所需样品和耗材前完成更新。

## 自动软件更新

- 1 选择 **Manage Instrument** (管理仪器)。
- 2 选择 **Software Update** (软件更新)。
- 3 选择 **Install the update already downloaded from BaseSpace** (安装已从 BaseSpace 下载的更新)。
- 4 选择 **Update** (更新) 以开始更新。一个对话框即会打开让您确认命令。
- 5 按照安装向导中的提示完成更新：
  - a 接受许可协议。
  - b 查看发行说明。
  - c 查看更新中包含的软件列表。

更新完成后，控制软件会自动重新启动。



### 注意

如果包含固件更新，则需要在更新固件后自动重新启动系统。

## 手动软件更新

- 1 从 Illumina 网站下载 System Suite 安装程序，然后将其保存到网络上的位置。或者，将软件安装文件复制到便携式 USB 驱动器。
- 2 选择 **Manage Instrument** (管理仪器)。
- 3 选择 **Software Update** (软件更新)。
- 4 选择 **Manually install the update from the following location** (从以下位置手动安装更新)。
- 5 选择 **Browse** (浏览) 导航到软件安装文件的位置，然后选择 **Update** (更新)。
- 6 按照安装向导中的提示完成更新：
  - a 接受许可协议。
  - b 查看发行说明。
  - c 查看更新中包含的软件列表。

更新完成后，控制软件会自动重新启动。



### 注意

如果包含固件更新，则需要在更新固件后自动重新启动系统。

## 关闭仪器

- 1 选择 **Manage Instrument**（管理仪器）。



### 注意

要关闭研究模式下的 NextSeq 550Dx 仪器，请参见 *NextSeq 550Dx 重新启动和关机选项*（第 60 页）。

- 2 选择 **Shutdown Options**（关机选项）。

- 3 选择 **Shutdown**（关机）。

“Shut Down（关机）”命令会安全地关闭软件和仪器电源。再次打开仪器前，请至少等待 60 秒。



### 注意

**请勿**搬迁仪器。不适当地移动仪器可能会影响光学校准并破坏数据完整性。如需搬迁仪器，请与 Illumina 代表联系。

# 附录 A 故障诊断

简介	37
故障诊断文件	37
解决自动检查错误	38
废试剂容器已满	40
再次杂化工作流程	41
BeadChip 和扫描错误	42
自定义配方和配方文件夹	44
系统检查	44
RAID 错误消息	46
网络存储错误	46
配置系统设置	46

## 简介

如有技术问题，请访问 Illumina 网站上的 NextSeq 550 支持页面。通过支持页面可以访问文档、下载内容和常见问题解答。

登录您的 MyIllumina 帐户，查看支持公告。

如有运行质量或性能方面的问题，请与 Illumina 技术支持部门联系。请参见[技术协助（第 65 页）](#)。

请将 BaseSpace Sequence Hub 中运行摘要的链接共享给 Illumina 技术支持人员，以便其进行故障诊断。

如果启用了 Illumina Proactive 监控服务，您还可以协助进行故障诊断。有关该服务的详细信息，请参见[设置发送仪器性能数据选项（第 11 页）](#)。

## 故障诊断文件

Illumina 技术支持代表可能会要求您提供特定于运行或特定于扫描的文件副本，以用于对问题进行故障诊断。通常以下文件可用于故障诊断。

### 测序运行的故障诊断文件

关键文件	子文件夹	描述
运行信息文件 (RunInfo.xml)	<运行文件夹名称>	包含以下信息： <ul style="list-style-type: none"><li>· 运行名称</li><li>· 运行中的循环次数</li><li>· 每个片段中的循环次数</li><li>· 片段是否为标签片段</li><li>· 流动槽上测绘带和小区的数目</li></ul>
运行参数文件 (RunParameters.xml)	<运行文件夹名称>	包含有关运行参数和运行组件的信息。这些信息包括 RFID、序列号、部件号和到期日期。
RTA 配置文件 (RTAConfiguration.xml)	Data\Intensities	包含运行的 RTA 配置设置。 RTAConfiguration.xml 文件创建于运行开始时。
InterOp 文件 (*.bin)	InterOp	用于 Sequencing Analysis Viewer 的二进制报告文件。 InterOp 文件会在整个运行期间加以更新。
日志文件	Logs	日志文件描述仪器为每次循环执行的每个步骤，并列出于运行的软件和固件版本。名为 [仪器名称]_CurrentHardware.csv 的文件会列出仪器组件的序列号。
错误日志文件 (*.ErrorLog*.txt)	RTALogs	RTA 错误日志。 每当发生错误时，都会更新错误日志文件。

关键文件	子文件夹	描述
全局日志文件 (*GlobalLog*.tsv)	RTALogs	所有 RTA 事件的日志。 全局日志文件会在整个运行期间持续更新。
泳道日志文件 (*LaneLog*.txt)	RTALogs	记录 RTA 处理事件。 泳道日志文件会在整个运行期间持续更新。

## RTA 错误

要对 RTA 错误进行故障诊断，请先检查存储在 RTALogs 文件夹中的 RTA 错误日志。如果运行成功，此文件将不存在。文件位于输出文件夹中运行所特定的文件夹内。向 Illumina 技术支持部门报告问题时，请附上此错误日志。

## 阵列扫描的故障诊断文件

关键文件	子文件夹	描述
扫描参数文件 (ScanParameters.xml)	<运行文件夹名称>	包含有关扫描参数的信息，该信息包括扫描日期、BeadChip 条形码、簇文件位置和清单文件位置。
日志文件	Logs	日志文件描述扫描期间仪器上执行的每个步骤。
指标文件	[条形码]	指标作为样品指标和节段指标提供。 [条形码]_sample_metrics.csv — 对于每个样品和通道（红色和绿色），会列出偏离百分比图像、异常百分比、P05、P50、P95、平均半高宽、半高宽标准差以及最小配准分值。 [条形码]_section_metrics.csv — 对于每个节段和小区，会列出激光 Z 位置、离焦 Z 位置、红色半高宽、绿色半高宽、红色平均像素强度、绿色平均像素强度、红色配准分值和绿色配准分值。
重新扫描文件	[条形码]	[条形码]_rescan.flowcell — 列出针对重新扫描调整的小区位置，包括增强的小区到小区重叠。

## 解决自动检查错误

如果在自动检查期间发生错误，请采用下列建议的措施予以解决。自动检查的程序因测序和阵列扫描而异。

但在控制软件初始化期间，流动槽、试剂夹盒和缓冲液夹盒 RFID 将被锁定，这样设置可能是为了解决错误需要如此。系统重新启动之前，用户必须从仪器中取出流动槽、试剂夹盒和缓冲液夹盒。此外，一旦封箔口被刺穿，系统就会锁定耗材 RFID。

系统检查	建议采取的措施
仓门已关闭	确保仓门已关闭。
已装入耗材	耗材传感器未配准。确保每个耗材都已正确装入。 在运行设置屏幕上选择 <b>Back (返回)</b> 回到装入步骤，然后重复运行设置。
必备软件	软件的关键组件缺失。 执行手动软件更新以恢复所有软件组件。
仪器磁盘空间	仪器硬盘驱动器没有足够的磁盘空间用于执行运行。可能之前某次运行产生的数据未传输。 清除仪器硬盘上的运行数据。
网络连接	网络连接已中断。检查网络状态和物理网络连接。
网络磁盘空间	BaseSpace 帐户或网络服务器已满。

温度	建议采取的措施
温度	请联系 Illumina 技术支持部门。
温度传感器	请联系 Illumina 技术支持部门。
风扇	请联系 Illumina 技术支持部门。
成像系统	建议采取的措施
成像限制	请联系 Illumina 技术支持部门。
Z 轴步幅和停顿	请联系 Illumina 技术支持部门。
误码率	请联系 Illumina 技术支持部门。
流动槽配准	流动槽有可能未安装妥当。 · 在运行设置屏幕上选择 <b>Back (返回)</b> ，回到流动槽步骤。成像仓门会打开。 · 卸载流动槽后再重新装回，确保安装妥当。
试剂供应	建议采取的措施
阀响应	请联系 Illumina 技术支持部门。
泵	请联系 Illumina 技术支持部门。
缓冲液装置	请联系 Illumina 技术支持部门。
已清空废试剂	清空废试剂容器，然后重新装入空容器。

## 检查测序运行

如果运行前检查失败，则试剂夹盒 RFID 不会处于锁定状态，因此可以用于后续运行。但是，一旦封箔口被刺穿，系统就会锁定 RFID。

系统检查	建议采取的措施
仓门已关闭	确保仓门已关闭。
已装入耗材	耗材传感器未配准。确保每个耗材都已正确装入。 在运行设置屏幕上选择 <b>Back (返回)</b> 回到装入步骤，然后重复运行设置。
必备软件	软件的关键组件缺失。 执行手动软件更新以恢复所有软件组件。
仪器磁盘空间	仪器硬盘驱动器没有足够的磁盘空间用于执行运行。可能之前某次运行产生的数据未传输。 清除仪器硬盘上的运行数据。
网络连接	网络连接已中断。检查网络状态和物理网络连接。
网络磁盘空间	BaseSpace 帐户或网络服务器已满。
温度	建议采取的措施
温度	请联系 Illumina 技术支持部门。
温度传感器	请联系 Illumina 技术支持部门。
风扇	请联系 Illumina 技术支持部门。
成像系统	建议采取的措施
成像限制	请联系 Illumina 技术支持部门。
Z 轴步幅和停顿	请联系 Illumina 技术支持部门。
误码率	请联系 Illumina 技术支持部门。

成像系统	建议采取的措施
流动槽配准	流动槽有可能未安装妥当。 · 在运行设置屏幕上选择 <b>Back (返回)</b> ，回到流动槽步骤。成像仓门会打开。 · 卸载流动槽后再重新装回，确保安装妥当。
试剂供应	建议采取的措施
阀响应	请联系 Illumina 技术支持部门。
泵	请联系 Illumina 技术支持部门。
缓冲液装置	请联系 Illumina 技术支持部门。
已清空废试剂	清空废试剂容器，然后重新装入空容器。

## 检查阵列扫描

系统检查	建议采取的措施
仓门已关闭	确保仓门已关闭。
已装入耗材	耗材传感器未配准。确保每个耗材都已正确装入。 在运行设置屏幕上选择 <b>Back (返回)</b> 回到装入步骤，然后重复运行设置。
必备软件	软件的关键组件缺失。 执行手动软件更新以恢复所有软件组件。
验证输入文件	确保簇文件及清单文件均存在，而且其路径正确无误。
仪器磁盘空间	仪器硬盘驱动器没有足够的磁盘空间用于执行运行。可能之前某次运行产生的数据未传输。 清除仪器硬盘上的运行数据。
网络连接	网络连接已中断。检查网络状态和物理网络连接。
网络磁盘空间	BaseSpace 帐户或网络服务器已满。
成像系统	建议采取的措施
成像限制	请联系 Illumina 技术支持部门。
Z 轴步幅和停顿	请联系 Illumina 技术支持部门。
误码率	请联系 Illumina 技术支持部门。
自动居中	取出 BeadChip 转接器。确保 BeadChip 已装入转接器中，然后重新装入该转接器。

## 废试剂容器已满

每次启动运行时都务必使用空的废试剂容器。

如果在启动运行前没有清空废试剂容器，当容器装满时，系统传感器会触发软件暂停运行。在成簇、双末端测序再合成或运行后自动清洗期间，系统传感器无法暂停运行。

运行暂停时，系统会显示一个对话框，其中的选项可用于提起吸管和清空已满的容器。

## 清空废试剂容器

- 1 选择 **Raise Sippers** (提起吸管)。
- 2 取出废试剂容器并妥善处理掉其中的溶液。
- 3 将空容器放回缓冲液仓。
- 4 选择 **Continue** (继续)。运行将自动恢复。

## 再次杂化工作流程

如果前几次循环期间生成的指标表明强度低于 2500，则可能需要执行再次杂化运行。需注意的是，一些低多样性文库会显示低于 1000 的强度，这种情况是合理的，而且无法通过再次杂化解决。



### 注意

“End Run（结束运行）”命令不可逆。运行将无法恢复，运行的耗材无法重复使用，运行的测序数据也不会保存。

当您结束运行时，软件会在运行结束前执行以下步骤：

- ▶ 将流动槽置于安全状态。
- ▶ 解锁流动槽 RFID，以供之后运行使用。
- ▶ 为流动槽分配再次杂化的到期日期。
- ▶ 为完成的循环写入运行日志。延迟属于正常现象。
- ▶ 跳过运行后自动清洗。

当您开始再次杂化运行时，软件会先执行下列步骤以执行运行：

- ▶ 根据唯一的运行名称创建运行文件夹。
- ▶ 确认流动槽的再次杂化日期未过期。
- ▶ 灌装试剂。延迟属于正常现象。
- ▶ 跳过簇生成步骤。
- ▶ 取出先前的片段 1 引物。
- ▶ 再次杂化新的片段 1 引物。
- ▶ 根据指定的运行参数继续处理片段 1 及运行的剩余耗材。

## 结束运行以再次杂化的时间点

仅当您在下列时间点结束运行，之后才能进行再次杂化：

- ▶ **在第 5 次循环之后** — 模板配准之后即会显示强度，而模板配准需要执行前五次测序循环。虽然在第 1 次循环之后可安全地结束运行，但是仍建议在第 5 次循环之后再结束运行。切勿在簇生成期间结束运行。
- ▶ **片段 1 或标签 1 片段** — 在双末端再合成开始之前结束运行。双末端再合成开始之后，便无法保存流动槽供之后的再次杂化使用。

## 必需的耗材

无论之前运行是何时停止的，再次杂化运行都需要使用新的 NextSeq 试剂夹盒和缓冲液夹盒。

## 结束当前运行

- 1 选择 End Run（结束运行）。当系统提示您确认命令时，请选择 Yes（是）。
- 2 当系统提示您保存流动槽时，请选择 Yes（是）。保存流动槽并不能确保当前运行将来一定可用。请注意再次杂化的到期日期。
- 3 取出已保存的流动槽，然后将其置于 2°C 到 8°C 的温度下，直到您准备好设置再次杂化运行。



### 注意

在 2°C 到 8°C 的温度下，您可以将流动槽置于**不带**干燥剂包的塑料翻盖盒中存储最长七天时间。为确保获取最佳效果，请于三天之内再次杂化所保存的流动槽。

## 执行手动清洗

- 1 从“Home（主页）”屏幕中，选择 **Perform Wash**（执行清洗）。
- 2 从“Wash Selection（清洗选择）”屏幕中，选择 **Manual Post-Run Wash**（运行后手动清洗）。请参见 [执行手动清洗（第 30 页）](#)。



### 注意

如果您尚未取出停止的运行所用的试剂夹盒和缓冲液夹盒，可以将其用于手动清洗。如果已取出，请用试剂清洗夹盒和缓冲液清洗夹盒执行手动清洗。

## 在仪器上设置运行

- 1 准备一个新的试剂夹盒。
- 2 如果之前存储了保留的流动槽，将其恢复至室温（需要 15 至 30 分钟）。
- 3 清洁并装入保留的流动槽。
- 4 取出废试剂容器并妥善处理掉其中的废液，然后再重新装入空容器。
- 5 在“Run Setup（运行设置）”屏幕中，选择以下其中一种运行模式。
  - ▶ Local Run Manager
  - ▶ 手动
- 6 **[可选]** 选择 **Use BaseSpace Sequence Hub Setting**（使用 BaseSpace Sequence Hub 设置），然后选择下面其中一项。
  - ▶ Run Monitoring and Storage（运行监控和存储）
  - ▶ Run Monitoring Only（仅运行监控）
 输入您的 BaseSpace Sequence Hub 用户名和密码。
- 7 装入新的缓冲液夹盒和试剂夹盒。
- 8 选择 **Next**（下一步）以继续执行运行前检查并启动运行。

## BeadChip 和扫描错误

### 软件无法读取 BeadChip 条形码

如果出现条形码错误对话框，请选择以下其中一个选项：

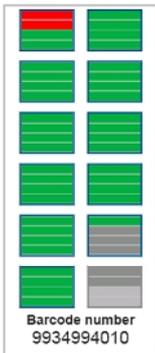
- ▶ 选择 **Rescan**（重新扫描）。软件会再次尝试读取条形码。
- ▶ 选择文本字段，并输入图像中显示的数字条形码。条形码最多有 12 位数字，具体视 BeadChip 而定。选择 **Save**（保存）。条形码图像会存储在输出文件夹中。
- ▶ 选择 **Cancel**（取消）。成像仓门会打开，供您取出 BeadChip 转接器。

### BeadChip 扫描失败

系统扫描图像后会进行配准。配准会将所扫描图像的位置与微珠图或 DMAP 文件夹中提供的信息进行关联，从而识别微珠。

未能配准的节段在 BeadChip 图像上以红色表示。

图 29 BeadChip 显示配准失败的节段



扫描完成后，扫描数据会写入输出文件夹，“Rescan（重新扫描）”按钮将变为可用。

选择“Rescan（重新扫描）”后，软件会执行下列步骤：

- ▶ 通过使用增强的小区到小区重叠，重新扫描包含失败节段的样品。
- ▶ 在原始输出文件夹中生成输出文件。
- ▶ 对于失败的节段，覆盖原有的输出文件。
- ▶ 每执行一次重新扫描，扫描计数器就加 1，但此操作在后台运行。软件不会重命名输出文件夹。

## 重新扫描或启动新扫描

- 1 选择 **Rescan（重新扫描）** 以扫描包含失败节段的样品。
- 2 如果扫描仍然失败，则结束扫描。
- 3 取下 BeadChip 和转接器，检查 BeadChip 是否沾上灰尘或碎屑。如果有，请使用罐装空气或其他压缩除尘法清理碎屑。
- 4 重新装入 BeadChip 并启动新扫描。  
新的扫描启动后，软件会执行下列步骤：
  - ▶ 扫描整个 BeadChip。
  - ▶ 在新的输出文件夹中生成输出文件。
  - ▶ 扫描计数器在上次重新扫描的计数基础上加 1。

## 更换清单文件和簇文件

- 1 前往所用 BeadChip 的 Illumina [支持页面](#)，单击 **Downloads（下载）** 选项卡。
- 2 下载要更换或更新的文件，将其复制到首选网络位置。



### 注意

请确保您选择的清单文件和簇文件与 NextSeq 550 系统兼容。兼容文件的文件名中包含 **NS550**。

- 3 只有在位置更改的情况下，才更新“BeadChip Scan Configuration（BeadChip 扫描配置）”屏幕上的位置，如下所示：
  - a 从 NCS 的“Home（主页）”屏幕中，选择 **Manage Instrument（管理仪器）**。
  - b 选择 **System Configuration（系统配置）**。
  - c 选择 **BeadChip Scan Configuration（BeadChip 扫描配置）**。
- 4 选择 **Browse（浏览）** 并浏览到已更换或已更新文件所在的位置。

## 自定义配方和配方文件夹

请勿修改原始配方，而是始终将原始配方复制一份，并冠以新名。如果修改了原始配方，软件更新程序将再也无法识别配方供日后更新，也就无法安装新的版本。

请将自定义配方存储在合适的配方文件夹中。配方文件夹的结构如下：

- 📁 Custom
  - 📁 High — 用于高输出试剂盒的自定义配方。
    - 📁 Mid — 用于中等输出试剂盒的自定义配方。
      - 📁 High — 用于高输出试剂盒的原始配方。
        - 📁 Mid — 用于中等输出试剂盒的原始配方。
          - 📁 Wash — 包含手动清洗配方。

## 系统检查

正常操作或仪器维护不需要执行系统检查。但是，Illumina 技术支持代表可能会要求您执行系统检查以进行故障诊断。



### 注意

如果到了应清洗仪器的时间，请在启动系统检查之前执行清洗。

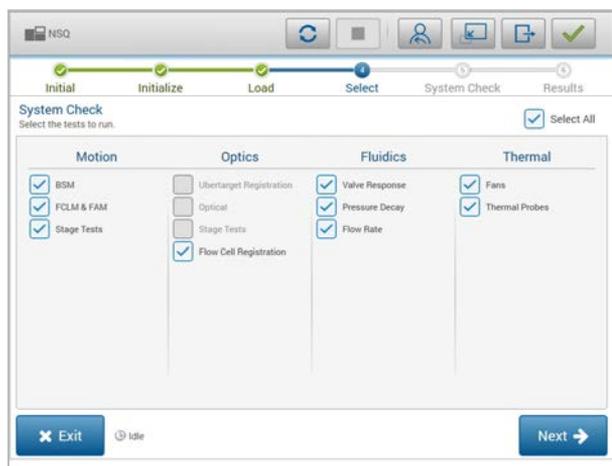
开始系统检查将会自动关闭控制软件并启动 NextSeq Service Software (NSS)。该服务软件会启动并打开登录页面。使用任何 Local Run Manager 用户名和密码凭据（管理员或用户级别）访问 NSS。当您通过身份验证后，NSS 会打开至“Load（装入）”屏幕，该屏幕已配置为使用高级装入选项。



### 注意

需要使用 Local Run Manager 管理员用户凭据登录服务软件，之后装入屏幕才会显示。

图 30 可用的系统检查



“Select（选择）”屏幕上未启用的复选框表示需要 Illumina 现场代表协助的测试。

## 执行系统检查

- 从“Manage Instrument（管理仪器）”屏幕，选择 **System Check**（系统检查）。当系统提示您关闭控制软件时，请选择 **Yes**（是）。
- 如下所示装入耗材：

- a 如果还没有在仪器上装入用过的流动槽，请装入一个。



#### 注意

Illumina 建议使用高输出流动槽进行系统检查。

- b 清空废试剂容器并放回仪器。
  - c 在中央槽内装入注入了 120 毫升实验室级用水的缓冲液清洗夹盒。
  - d 装入试剂清洗夹盒。确保试剂清洗夹盒是空的，并且是干净的。
- 3 选择 **Load** (装入)。软件会将流动槽和试剂清洗夹盒移动到位。选择 **Next** (下一步)。
  - 4 选择 **Next** (下一步)。系统检查随即开始。
  - 5 **[可选]** 系统检查完成后，选择检查名称旁的 **View** (查看) 可查看每项检查相关联的值。
  - 6 选择 **Next** (下一步)。系统检查报告随即打开。
  - 7 选择 **Save** (保存) 将报告保存为压缩文件。导航至网络位置以保存文件。
  - 8 完成后，选择 **Exit** (退出)。
  - 9 当系统提示您关闭服务软件并重新启动控制软件时，请选择 **Yes** (是)。控制软件随即会自动重新启动。

## 运动检查

系统检查	描述
BSM	检查缓冲液吸管装置 (BSM) 的增益和距离，以确认模块是否正常工作。
FCLM 和 FAM	检查流动槽装入装置 (FCLM) 和射流自动化模块 (FAM) 的增益和距离，以确认模块是否正常工作。
槽台测试	检查 XY 槽台和 6 个 Z 槽台 (每个相机各一个) 的行程限制和性能。

## 光学检查

系统检查	描述
流动槽配准	测量流动槽在光学平面上的倾斜度、测试相机功能、测试成像模块并验证流动槽在正确成像位置上的配准情况。

## 射流检查

系统检查	描述
阀响应	检查阀和泵移动的准确性，并测试泵注射器的移动范围。
压力衰减	检查密封射流系统的泄漏率，由此确认流动槽是否正确安装在测序位置。
流速	检查气泡传感器的功能，该传感器用于检测试剂管路中是否存在空气。测量流速以检查是否有闭塞或泄漏。

## 散热情况检查

系统检查	描述
风扇	检查系统风扇的速度 (单位为每分钟脉冲数, Pulse Per Minute, 简称 PPM) 以确认风扇是否正常运行。对于无法正常运行的风扇, 系统将会返回负值。
热探针	检查每个热传感器的平均温度。对于无法正常运行的热传感器, 系统将会返回负值。

## RAID 错误消息

NextSeq 计算机配有两个硬盘驱动器。如果其中一个硬盘驱动器开始出现故障，则系统会生成一条 RAID 错误消息，并建议您与 Illumina 技术支持部门联系。这种情况下通常需要更换硬盘驱动器。

您可以继续执行运行设置步骤和常规操作。该消息是为了方便您提前安排维护，避免在常规仪器操作期间发生中断。若要继续操作，请依次选择 **Acknowledge**（确认）和 **Close**（关闭）。

## 网络存储错误

造成网络存储错误的原因有以下几种：

- ▶ **输出文件夹的存储空间不足** — 增加存储设备的空间量，或将输出文件夹移到存储空间充足的位置。
- ▶ **无法连接到网络存储** — 检查输出文件夹的路径。请参见 [设置输出文件夹位置](#)（第 47 页）。
- ▶ **系统无法写入网络存储** — 请咨询您的 IT 管理员确认权限。仪器操作系统的 Windows 帐户必须有相应的权限才能读写输出文件夹。

Local Run Manager 中的 Windows 帐户也要有权限才能读写输出文件夹。请参见《*Local Run Manager 软件指南*》（文档号 100000002702）中的“指定服务帐户设置”。

## 配置系统设置

系统是在安装期间配置的。不过，如果需要更改，或必须重新配置系统，请使用系统配置选项。

- ▶ **Network Configuration**（网络配置）— 提供用于设置 IP 地址、域名服务器 (DNS) 地址、计算机名称和域名的选项。
- ▶ **BaseSpace Sequence Hub** — 提供用于指定要将数据传输到何处以进行存储和分析的位置选项（如果使用 BaseSpace Sequence Hub）。
- ▶ **Output Folder Location**（输出文件夹位置）— 提供输出文件夹的路径选项。
- ▶ **BeadChip Scan Configuration**（BeadChip 扫描配置）— 提供用于指定以下信息的选项。
  - ▶ 默认 DMAP 文件夹位置
  - ▶ 输出文件夹位置
  - ▶ 所保存图像的文件格式
  - ▶ 输出文件类型

## 设置网络配置

- 1 在“Manage Instrument（管理仪器）”屏幕中，选择 **System Configuration**（系统配置）。
- 2 选择 **Network Configuration**（网络配置）。
- 3 选择 **Obtain an IP address automatically**（自动获取 IP 地址）以使用 DHCP 服务器获取 IP 地址。



### 注意

动态主机配置协议 (DHCP) 是一项标准网络协议，用于在 IP 网络上动态分配网络配置参数。

您也可以选择 **Use the following IP address**（使用下列 IP 地址），按下列方式将仪器手动连接到另一台服务器。请联系网络管理员，以获取您的机构的特定地址。

- ▶ 输入 IP 地址。IP 地址是一串以点分隔的四个数字，如 168.62.20.37。
- ▶ 输入子网掩码，它是 IP 网络的细分。
- ▶ 输入默认网关，它是网络上用于连接互联网的路由器。

- 选择 **Obtain a DNS server address automatically**（自动获取 DNS 服务器地址），将仪器连接到与该 IP 地址关联的域名服务器。

您也可以选择 **Use the following DNS server address**（使用以下 DNS 服务器地址），按以下方式手动将仪器连接到域名服务器。

- ▶ 输入首选 DNS 地址。DNS 地址是用于将域名转换成 IP 地址的服务器名称。
- ▶ 输入备用 DNS 地址。如果首选 DNS 无法将特殊域名转换成 IP 地址，则需要使用备用 DNS。

- 选择 **Save**（保存）进入“Computer（计算机）”屏幕。



#### 注意

在仪器计算机制造期间会向其分配仪器计算机名称。对该计算机名称的任何更改都可能会影响网络连接，因此需要由网络管理员执行更改。

- 按下列方式将仪器计算机连接到域或工作组：

- ▶ **对于已连接到互联网的仪器** — 选择 **Member of domain**（域成员），然后输入您的机构与互联网连接关联的域名。若要更改域，需要提供管理员用户名和密码。
- ▶ **对于未连接到互联网的仪器** — 选择 **Member of work group**（工作组成员），然后输入工作组名称。该工作组名称是您的机构所特有的。

- 选择 **Save**（保存）。

## 设置 BaseSpace Sequence Hub 配置

- 从“Home（主页）”屏幕中，选择 **Manage Instrument**（管理仪器）。
- 选择 **System Configuration**（系统配置）。
- 选择 **BaseSpace Sequence Hub Configuration**（BaseSpace Sequence Hub 配置）。
- 从下列选项中进行选择，以指定要将待分析数据传输到的位置。
  - ▶ 从“Hosting Location（托管位置）”列表中，选择要将数据上传到的服务器的位置。
  - ▶ 如果您具有企业订阅，请选中 **Private Domain**（专用域）复选框，然后输入用于单点登录到 BaseSpace Sequence Hub 的域名（URL）。  
例如：<https://您的实验室.basespace.illumina.com>。

- 选择 **Save**（保存）。

## 设置输出文件夹位置

NextSeq 需要一个用于所有运行的输出文件夹。请使用输出文件夹的完整通用命名约定（UNC）路径。UNC 路径包含两个反斜杠、服务器名称和目录名称，但 **不包含**代表映射网络驱动器的驱动器号。

- ▶ 只有一级的输出文件夹路径结尾需有一个反斜杠。
  - ▶ UNC 路径示例：`\\servername\directory1\`
- ▶ 有两级或两级以上的输出文件夹路径结尾无需反斜杠。
  - ▶ UNC 路径示例：`\\servername\directory1\directory2`
- ▶ 指向映射网络驱动器的路径会导致错误，**请勿使用**。
  - ▶ 映射网络驱动器路径示例：`T:\sbsfiles`

如果是 Local Run Manager 运行模式，请在 Local Run Manager 软件中设置输出文件夹位置。有关详细信息，请参见《Local Run Manager 软件指南》（文档号 1000000002702）。

## BeadChip 扫描配置

- 1 在“Manage Instrument（管理仪器）”屏幕中，选择 **System Configuration**（系统配置）。
- 2 选择 **BeadChip Scan Configuration**（BeadChip 扫描配置）。
- 3 要指定默认的 DMAP 文件夹位置，请选择 **Browse**（浏览）并导航至您机构网络上的首选文件夹位置。



### 注意

每次执行扫描之前，请先下载 DMAP 内容并将其复制到此位置。每个 BeadChip 都需要 DMAP 内容，并且该内容对每个 BeadChip 条形码都是唯一的。

- 4 要指定默认的输出位置，请选择 **Browse**（浏览）并导航至您机构网络上的首选位置。
- 5 为保存的图像选择一种图像文件格式。默认的图像类型为 **JPG**。
- 6 为扫描数据选择一种输出文件格式。默认的输出文件类型为 **GTC only**（仅限 GTC）。
- 7 选择 **Save**（保存）。
- 8 在“Scan Map（扫描映射）”屏幕中，指定每个 BeadChip 类型的清单文件和簇文件的完整路径。针对每种文件类型选择 **Browse**（浏览），然后导航至包含这些文件的文件夹位置。

# 附录 B Real-Time Analysis

Real-Time Analysis 概述 .....	49
Real-Time Analysis 工作流程 .....	50

## Real-Time Analysis 概述

NextSeq 550 使用称为 RTA2 的 Real-Time Analysis (RTA) 软件实现。RTA2 在仪器计算机上运行，会从图像提取强度、执行碱基检出，并为碱基检出分配质量分值。RTA2 和控制软件通过 Web HTTP 接口和共享内存文件进行通信。RTA2 一旦被终止，处理过程便无法恢复，并且运行数据也不会保存下来。



### 注意

RTA2 不会计算文库拆分。因此，系统不会填充 Sequencing Analysis Viewer (SAV) 中的“Index (标签)”选项卡。

## RTA2 输入

需要输入以下内容，RTA2 才能进行处理：

- ▶ 包含在本地系统内存中的小区图像。
- ▶ RunInfo.xml，在运行开始时自动生成。该文件提供以下信息。
  - ▶ 运行名称
  - ▶ 循环次数
  - ▶ 片段是否带标签
  - ▶ 流动槽上小区的数目
- ▶ RTA.exe.config，它是 XML 格式的软件配置文件。

RTA2 从控制软件接收有关 RunInfo.xml 的位置以及是否指定了可选输出文件夹方面的命令。

## RTA v2 输出文件

每个通道的图像在内存中均作为小区传递。小区是流动槽上以相机的视野定义的小成像区域。软件根据这些图像以一组带有质量分值的碱基检出文件和过滤文件的形式生成输出。其他所有文件均为支持输出文件。

文件类型	描述
碱基检出文件 (*.bcl)	已分析的每个小区都会纳入到针对每个泳道和每次循环累积的碱基检出文件中。累积的碱基检出文件包含该泳道中每个簇的碱基检出以及相关的质量分值。
过滤文件 (*.filter)	每个小区都会生成过滤信息，并针对每个泳道累积到一个过滤文件中。过滤文件指定簇是否通过过滤。
簇位置文件 (*.locs)	簇位置文件包含小区中每个簇的 X、Y 坐标。在生成模板的过程中会针对每个泳道生成簇位置文件。
碱基检出标签文件 (*.bci)	为保留原始小区信息，会针对每个泳道生成一个碱基检出标签文件。该标签文件包含与每个小区对应的一对值，即小区编号和该小区的簇数量。

输出文件用于 BaseSpace 中的下游分析。或者，可以使用 bcl2fastq 转换软件进行 FASTQ 转换并使用第三方分析解决方案。NextSeq 文件需要使用 bcl2fastq 2.0 或更高版本。如需 bcl2fastq 的最新版本，请访问 Illumina 网站上的 [NextSeq 下载页面](#)。

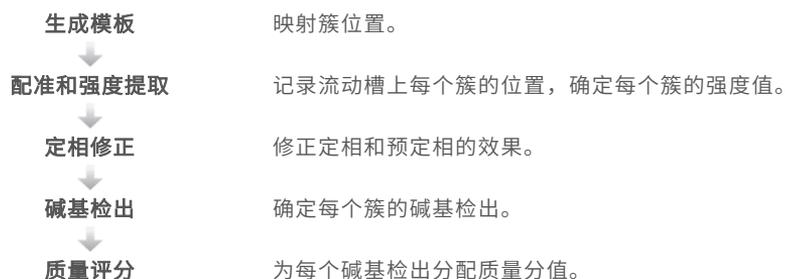
RTA v2 提供以 InterOp 文件形式存储的运行质量实时指标。InterOp 文件为二进制输出，它包含小区、循环和片段级别指标，使用 Sequencing Analysis Viewer (SAV) 查看实时指标时需要该文件。如需 SAV 的最新版本，请访问 Illumina 网站上的 [SAV 下载页面](#)。

## 错误处理

RTA2 会创建日志文件并将其写入 RTALogs 文件夹。错误记录在 \*.tsv 文件格式的错误文件中。在处理结束时，以下日志和错误文件会传送到最终输出目的地：

- ▶ \*GlobalLog\*.tsv 汇总重要运行事件。
- ▶ \*LaneNLog\*.tsv 列出每个泳道的处理事件。
- ▶ \*Error\*.tsv 列出在运行期间发生的错误。
- ▶ \*WarningLog\*.tsv 列出在运行期间发生的警告。

## Real-Time Analysis 工作流程



## 生成模板

RTA 工作流程中的第一个步骤就是生成模板，在此步骤中，将使用 X 和 Y 坐标定义小区中每个簇的位置。生成模板需要用到运行的前五次循环产生的图像数据。小区的最后一个模板循环成像后，随即会生成模板。



### 注意

要在生成模板期间检测簇，前五次循环中必须至少有一个非 G 碱基。对于任何标签序列，RTA v2 要求前两次循环中至少有一个非 G 碱基。

模板用作配准和强度提取的后续步骤的参考。整个流动槽的簇位置将写入簇位置 (\*.locs) 文件，每个泳道一个文件。

## 配准和强度提取

模板生成之后，就会开始配准和强度提取。

- ▶ 配准用于对照模板比针对成像的每次后续循环生成的图像。
- ▶ 强度提取用于确定给定图像的模板中每个簇的强度值。

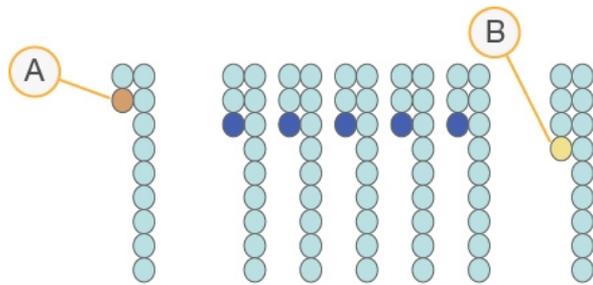
如果某次循环中有任何图像的配准失败，则在该循环中不会为该小区生成碱基检出。使用 Sequencing Analysis Viewer (SAV) 软件可检查缩略图并标识配准失败的图像。

## 定相修正

在测序反应期间，簇中的每个 DNA 链在每次循环中会扩展一个碱基。定相和预定相在 DNA 链与当前结合循环异相时发生。

- ▶ 当碱基落在后面时，便会发生定相。
- ▶ 当碱基跳到前面时，便会发生预定相。

图 31 定相和预定相



- A 具有定相碱基的片段  
B 具有预定相碱基的片段

RTA2 会修正定相和预定相的效果，从而尽可能提高整个运行期间每次循环的数据质量。

## 碱基检出

碱基检出用于确定特定循环中给定小区的每个簇的碱基（A、C、G 或 T）。NextSeq 550 使用双通道测序，只需要两个图像即可对四种 DNA 碱基的数据进行编码，一个图像来自红色通道，一个图像来自绿色通道。

两个图像比较后所提取的强度会产生四个不同的群体，每个群体对应于一种核苷酸。碱基检出流程决定了每个簇属于哪个群体。

图 32 簇强度展示图

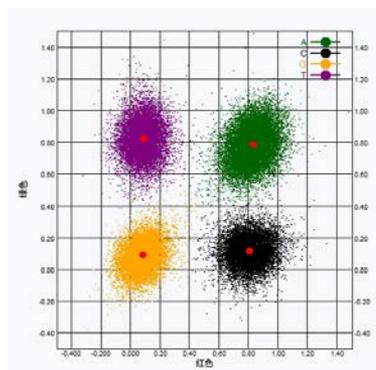


表 1 双通道测序的碱基检出

碱基	红色通道	绿色通道	结果
A	1 (开)	1 (开)	在红色和绿色通道中都显示强度的簇。
C	1 (开)	0 (关)	只在红色通道中显示强度的簇。
G	0 (关)	0 (关)	在已知位置上未显示强度的簇。
T	0 (关)	1 (开)	只在绿色通道中显示强度的簇。

## 簇通过过滤

在运行期间，RTA2 会过滤原始数据，删除任何不符合数据质量阈值的片段，并会删除重叠和低质量的簇。

对于双通道分析，RTA2 使用基于种群的系统确定碱基检出的纯度。如果在前 25 次循环中，纯度 < 0.63 的碱基检出不超过一个，簇将通过过滤 (PF)。未通过过滤的簇则不会检出碱基。

## 标签注意事项

针对标签片段的碱基检出过程与其他片段的碱基检出过程有所不同。

在前两次循环中的任一循环内，标签片段的开头必须至少有一个碱基不是 G。如果标签片段所检出的前两个碱基均为 G，则不会生成信号强度。前两次循环中的任一循环必须存在信号，这样才能保证文库拆分性能。

为提高文库拆分性能，请为每次循环选择至少一个通道中存在信号（最好是两个通道中都存在信号）的标签序列。遵循此准则可避免出现导致每次循环都只有 G 碱基的标签组合。

- ▶ 红色通道 — A 或 C
- ▶ 绿色通道 — A 或 T

此碱基检出过程可以保证分析低重样品时的准确性。

## 质量评分

质量分值（或 Q-score）是对碱基检出不正确概率的预测。Q-score 越高，表示碱基检出的质量越高，正确率也越高。

Q-score 是一种告知小错误概率的简单方法。Q(X) 代表质量分值，其中 X 是分值。下表显示了质量分值与错误概率之间的关系。

Q-Score Q(X)	错误概率
Q40	0.0001（万分之一）
Q30	0.001（千分之一）
Q20	0.01（百分之一）
Q10	0.1（十分之一）



### 注意

质量评分基于 Phred 算法的修改版本计算。

质量评分会计算每个碱基检出的一组预测因素，然后使用预测因素值在质量表中查找 Q-score。创建质量表的目的是根据特定的测序平台和化学反应版本配置为生成的运行提供最准确的质量预测。

确定 Q-score 之后，结果会记录在碱基检出文件中。

# 附录 C 输出文件和文件夹

测序输出文件 .....	53
测序输出文件夹结构 .....	56
扫描输出文件 .....	57
扫描输出文件夹结构 .....	57

## 测序输出文件

文件类型	文件描述、位置和名称
碱基检出文件	已分析的每个小区都会纳入到一个碱基检出文件中，并针对每个泳道和每次循环累积到一个文件中。累积的文件包含该泳道每个簇的碱基检出以及已编码的质量分值。 Data\Intensities\BaseCalls\L00[X] — 文件存储在每个泳道对应的一个文件夹中。 <b>[循环].bcl.bgzf</b> ，其中 [循环] 代表循环次数（以四位数表示）。系统使用数据块 gzip 压缩方式来压缩碱基检出文件。
碱基检出标签文件	对于每个泳道，二进制标签文件会在一对值中列出每个小区的原始小区信息，即小区编号和该小区的簇数量。 首次为该泳道创建碱基检出文件时，会创建碱基检出标签文件。 Data\Intensities\BaseCalls\L00[X] — 文件存储在每个泳道对应的一个文件夹中。 <b>s_[泳道].bci</b>
簇位置文件	对于每个小区，每个簇的 X 坐标和 Y 坐标会针对每个泳道累积到一个簇位置文件中。簇位置文件是生成模板时创建的。 Data\Intensities\L00[X] — 文件存储在每个泳道对应的一个文件夹中。 <b>s_[泳道].locs</b>
过滤文件	过滤文件指定簇是否通过过滤。过滤信息会针对每个泳道和片段累积到一个过滤文件中。 过滤文件在第 26 次循环时使用前 25 次循环的数据生成。 Data\Intensities\BaseCalls\L00[X] — 文件存储在每个泳道对应的一个文件夹中。 <b>s_[泳道].filter</b>
InterOp 文件	用于 Sequencing Analysis Viewer (SAV) 的二进制报告文件。InterOp 文件会在整个运行期间加以更新。 InterOp 文件夹
RTA 配置文件	RTA 配置文件创建于运行开始时，列出运行的设置。 <运行文件夹名称>, RTAConfiguration.xml
运行信息文件	列出运行名称、每个片段中的循环次数、片段是否为带标签的片段以及流动槽上测绘带和小区的数量。运行信息文件创建于运行开始时。 <运行文件夹名称>, RunInfo.xml
缩略图文件	在成像期间的每次循环中，由顶面和底面所有相机生成的小区 1、6 和 12 的每个颜色通道（红色和绿色）的缩略图。 Thumbnail_Images\L00[X]\C[X.1] — 文件存储在每个泳道的各文件夹中，每次循环对应一个子文件夹。 <b>s_[泳道]_[小区]_[通道].jpg</b> — 在该文件名中，小区以五位数表示，这些数字分别代表表面、测绘带、相机和小区。有关详细信息，请参见 <a href="#">小区编号</a> （第 55 页）以及 <a href="#">缩略图命名</a> （第 55 页）。

## 流动槽小区

小区是流动槽上以相机的视野定义的小成像区域。小区总数取决于流动槽上成像的泳道、测绘带和表面的数量，以及各相机相互配合收集图像的方式。

- ▶ 高输出流动槽共有 864 个小区。
- ▶ 中等输出流动槽共有 288 个小区。

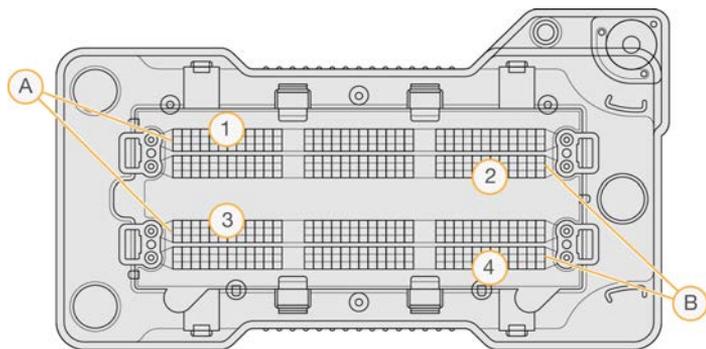
表 2 流动槽小区

流动槽组件	高输出	中等输出	描述
泳道	4	4	泳道是指带有专用输入端口和输出端口的物理通道。
表面	2	2	流动槽会在顶面和底面两个表面成像。一个小区的顶面成像后，该小区的底面会接着成像，之后会移至下一个小区。
每泳道测绘带数	3	1	测绘带是泳道中的一列小区。
相机区段	3	3	仪器使用六个相机对流动槽成像，为每个泳道成像三个片段。
每个相机区段的每测绘带小区数	12	12	小区是流动槽上的区域，相机将其视为一个图像。
成像小区总计	864	288	小区总数 = 泳道数 × 表面数 × 测绘带数 × 相机区段数 × 每个区段的每测绘带小区数。

## 泳道编号

泳道 1 和 3（称为“泳道对 A”）同时成像。泳道 2 和 4（称为“泳道对 B”）在泳道对 A 完成成像后成像。

图 33 泳道编号

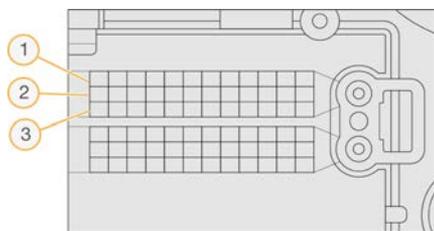


- A 泳道对 A — 泳道 1 和 3
- B 泳道对 B — 泳道 2 和 4

## 测绘带编号

每个泳道在三个测绘带中成像。对于高输出流动槽，测绘带以 1-3 编号。

图 34 测绘带编号

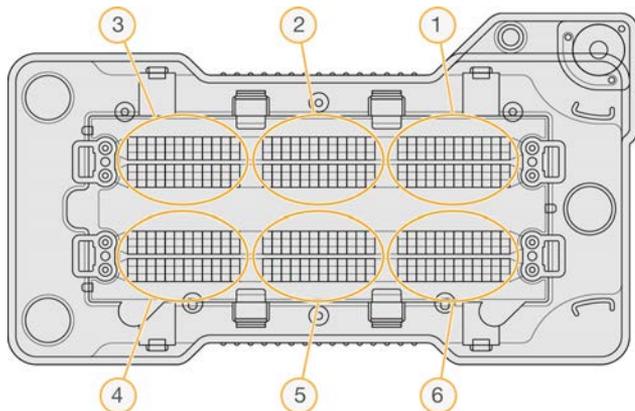


## 相机编号

NextSeq 550 使用六个相机对流动槽成像。

相机编号为 1-6。相机 1-3 对泳道 1 成像。相机 4-6 对泳道 3 成像。对泳道 1 和 3 成像后，成像模块会沿 X 轴方向移动，以便对泳道 2 和 4 成像。

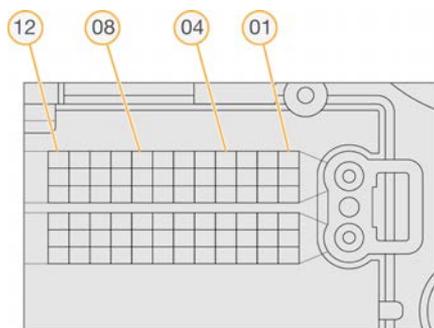
图 35 相机和片段编号 (所示为高输出流动槽)



## 小区编号

每个相机区段的每个测绘带有 12 个小区。无论对应哪个测绘带编号或相机区段，小区均以 01-12 编号，并用两位数表示。

图 36 小区编号



完整的小区编号采用 5 位数来表示位置，如下所示：

- ▶ **表面** — 1 表示顶面，2 表示底面
- ▶ **测绘带** — 1、2 或 3
- ▶ **相机** — 1、2、3、4、5 或 6
- ▶ **小区** — 01、02、03、04、05、06、07、08、09、10、11 或 12

**示例：**小区编号 12508 表示顶面、测绘带 2、相机 5 和小区 8。

完整的五位数小区编号用于缩略图和经验定相文件的文件名。有关详细信息，请参见[测序输出文件](#)（第 53 页）。

## 缩略图命名

在成像期间的每次循环中，小区 1、6 和 12 的每个颜色通道（红色和绿色）的缩略图由顶面和底面所有相机生成。生成的缩略图文件为 JPG 文件格式。

每个图像都按小区编号命名并一律以 **s\_** 开头，如下列命名约定所示：

- ▶ **泳道** — 1、2、3 或 4
- ▶ **小区** — 5 位数小区编号，表示表面、测绘带、相机和小区
- ▶ **通道** — 红色或绿色

示例：s\_3\_12512\_green.jpg 表示泳道 3、顶面、测绘带 2、相机 5、小区 12 和绿色通道。

## 测序输出文件夹结构

控制软件会自动生成输出文件夹名称。

### 📁 Data

#### 📁 Intensities

##### 📁 BaseCalls

📁 L001 — 泳道 1 的碱基检出文件，每次循环的数据累积在一个文件中。

📁 L002 — 泳道 2 的碱基检出文件，每次循环的数据累积在一个文件中。

📁 L003 — 泳道 3 的碱基检出文件，每次循环的数据累积在一个文件中。

📁 L004 — 泳道 4 的碱基检出文件，每次循环的数据累积在一个文件中。

📁 L001 — 泳道 1 的累积 \*.locs 文件。

📁 L002 — 泳道 2 的累积 \*.locs 文件。

📁 L003 — 泳道 3 的累积 \*.locs 文件。

📁 L004 — 泳道 4 的累积 \*.locs 文件。

### 📁 Images

#### 📁 Focus

📁 L001 — 泳道 1 的聚焦图像。

📁 L002 — 泳道 2 的聚焦图像。

📁 L003 — 泳道 3 的聚焦图像。

📁 L004 — 泳道 4 的聚焦图像。

📁 InterOp — Sequencing Analysis Viewer (SAV) 使用的二进制文件。

📁 Logs — 描述运行步骤的日志文件。

📁 Recipe — 以试剂夹盒 ID 命名的运行特定配方文件。

📁 RTALogs — 描述分析步骤的日志文件。

📁 Thumbnail\_Images — 每次循环每个测绘带中第 1、6 和 12 小区的缩略图。

📄 RTAComplete.xml

📄 RTAConfiguration.xml

📄 RunInfo.xml

📄 RunNotes.xml

📄 RunParameters.xml

## 扫描输出文件

文件类型	文件描述、位置和名称
GTC 文件	基因型检出文件。对于 BeadChip 上扫描的每个样品，系统会生成一个 GTC 文件。文件名包含所扫描的条形码和样品。 [条形码]_[样品].gtc
图像文件	图像文件根据 BeadChip 上所扫描的区域命名。该名称包括 BeadChip 上的条形码、样品和节段，以及测绘带和成像通道（红色或绿色）。 [条形码]_[样品]_[节段]_[测绘带]_[相机]_[小区]_[通道].jpg · 条形码 — 文件名以 BeadChip 条形码开头。 · 样品 — BeadChip 上的区域，按行从上到下编号 (R0X) 并按列从左到右编号 (C0X)。 · 节段 — 样品中编号的行。 · 测绘带 — BeadChips 作为一组重叠小区成像。因此，只有 1 个测绘带用于对节段成像。 · 相机 — 相机用于收集图像。 · 小区 — 定义为相机视野的成像区域。 · 通道 — 通道为红色或绿色。

## 扫描输出文件夹结构

### 📁 [日期]\_[仪器名称]\_[扫描编号]\_[条形码]

#### 📁 [条形码]

##### 📁 Config

📄 Effective.cfg — 记录运行期间所用的配置设置。

##### 📁 Focus — 包含聚焦扫描所用的图像文件。

##### 📁 Logs — 所包含的日志文件列出了扫描期间执行的每个步骤。

##### 📁 PreScanDiagnosticFiles

##### 📁 [日期\_时间] Barcode Scan

📄 ProcessedBarcode.jpg — BeadChip 条形码的图像。

📄 Scanning Diagnostics (日志文件)

📄 PreScanChecks.csv — 记录自动检查的结果。

📄 GTC 文件 — 基因型检出文件（每个样品一个文件）。

📄 IDAT 文件 — [可选] 强度数据文件（每个样品两个文件，每个通道各一个文件）。

📄 图像文件 — 扫描每个样品、节段、测绘带、相机、小区和通道的图像。

📄 [条形码]\_sample\_metrics.csv

📄 [条形码]\_section\_metrics.csv

📄 ScanParameters.xml

# 附录 D NextSeq 550Dx 研究模式注意事项

简介 .....	58
NextSeq 550Dx 耗材兼容性 .....	58
启动 NextSeq 550Dx 仪器 .....	58
NextSeq 550Dx 仪器模式指示器 .....	59
NextSeq 550Dx 重新启动和关机选项 .....	60

## 简介

本指南中的说明（包含某些例外情况）适用于处于研究模式且使用 NCS 4.0 或更高版本的 NextSeq 550Dx 仪器。对于处于研究模式但使用 NCS v3.0 的 NextSeq 550Dx 仪器，请参见《NextSeq 550Dx 研究模式仪器参考指南》（文档号 1000000041922）。

要参考的常规 Local Run Manager 软件说明视 NextSeq 550Dx 仪器所采用的模式而定。如果采用研究模式，请参见《Local Run Manager 软件指南》（文档号 1000000002702）。如果采用诊断模式，请参见《NextSeq 550Dx 仪器参考指南》（文档号 1000000009513）中的 Local Run Manager 软件说明。Local Run Manager 软件不适用于 NCS v3.0。

研究模式下的 NextSeq 550Dx 与 NextSeq 550 在以下方面存在差异：

- ▶ 耗材兼容性。
- ▶ 启动仪器。
- ▶ 仪器重新启动和关机。

## NextSeq 550Dx 耗材兼容性

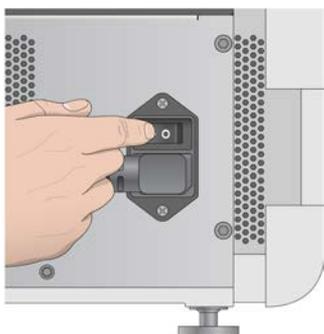
在 NextSeq 550Dx 上执行测序运行需要使用一次性 NextSeq 550/550 试剂盒或 NextSeq 550Dx 高输出试剂盒。

如果使用 NextSeq 550Dx 高输出试剂盒执行研究模式运行，则所有组件必须来自同一试剂盒批次。不能使用 NextSeq 550/550 试剂盒执行诊断模式运行。

## 启动 NextSeq 550Dx 仪器

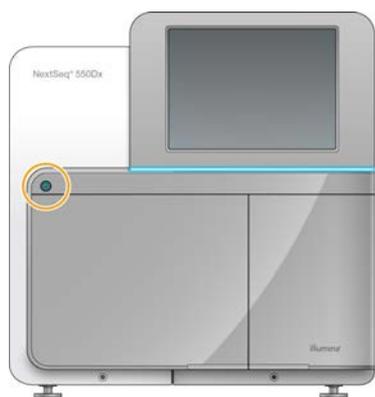
将电源切换开关切换到 I（开）位置。

图 37 位于仪器背面的电源开关



- 1 按试剂仓上方的电源按钮。电源按钮将会开启仪器电源并启动集成仪器计算机和软件。仪器默认以诊断模式启动。

图 38 位于仪器前面的电源按钮



- 2 等待操作系统完成加载过程。  
NextSeq 550Dx 操作系统 (NOS) 会自动启动并初始化系统。初始化步骤完成后，“Home（主页）”屏幕将会打开。
- 3 输入您的 Local Run Manager 用户名和密码。  
有关 Local Run Manager 密码的信息，请参见《NextSeq 550Dx 仪器参考指南》（文档号 1000000009513）。
- 4 选择 **Login（登录）**。  
“Home（主页）”屏幕随即打开，其中显示“Sequence（测序）”、Local Run Manager、“Manage Instrument（管理仪器）”和“Perform Wash（执行清洗）”图标。
- 5 在 NOS 中使用“Reboot to RUO（重新启动到 RUO）”命令安全地关闭仪器并重新启动到研究模式。
  - ▶ 选择 **Manage Instrument（管理仪器）**。
  - ▶ 选择 **Reboot/Shutdown（重新启动/关机）**。
  - ▶ 选择 **Reboot to RUO（重新启动到 RUO）**。
- 6 等待操作系统完成加载过程。  
NCS 会自动启动并初始化系统。初始化步骤完成后，“Home（主页）”屏幕将会打开。
- 7 如果系统已配置为需要输入登录凭据，请使用您所在站点的用户名和密码登录 Windows。

**注意**

如果您不确定仪器处于哪种模式，请参见 [NextSeq 550Dx 仪器模式指示器](#)。

## NextSeq 550Dx 仪器模式指示器

下表列出了 NCS 或 NOS 屏幕上的仪器模式指示器。有关如何从研究模式切换到诊断模式的信息，请参见 [NextSeq 550Dx 重新启动和关机选项（第 60 页）](#)。

模式	Home（主页）屏幕	颜色条	状态图标方向
诊断模式	欢迎使用 NextSeqDx	蓝色	水平
研究模式	欢迎使用 NextSeq	橙色	垂直

## NextSeq 550Dx 重新启动和关机选项

在处于研究模式的 NextSeq 550Dx 中，通过选择“Shutdown Options（关机选项）”按钮来访问以下功能：

- ▶ Reboot to Dx（重新启动到 Dx）— 仪器以诊断模式启动。
- ▶ Reboot to RUO（重新启动到 RUO）— 仪器以研究模式启动。
- ▶ Shutdown（关机）— 仪器以诊断模式启动。
- ▶ Exit to Windows（退出到 Windows）— 根据权限的不同，您可以关闭 NCS 并查看 Windows。



### 注意

如果在研究模式下使用 NextSeq 550Dx，当您返回诊断模式时，系统会提示您执行运行后清洗。

## 重新启动到诊断模式

使用“Reboot to Dx（重新启动到 Dx）”命令可安全地关闭仪器并重新启动到诊断模式。

- 1 选择 **Manage Instrument**（管理仪器）。
- 2 选择 **Shutdown Options**（关机选项）。
- 3 选择 **Reboot to Dx**（重新启动到 Dx）。

## 重新启动到研究模式

使用“Reboot to RUO（重新启动到 RUO）”命令可安全地关闭仪器并重新启动到研究模式。

- 1 选择 **Manage Instrument**（管理仪器）。
- 2 选择 **Shutdown Options**（关机选项）。
- 3 选择 **Reboot to RUO**（重新启动到 RUO）。

## 关闭仪器

- 1 选择 **Manage Instrument**（管理仪器）。
- 2 选择 **Shutdown Options**（关机选项）。
- 3 选择 **Shutdown**（关机）。

“Shut Down（关机）”命令会安全地关闭软件和仪器电源。再次打开仪器前，请至少等待 60 秒。



### 注意

打开仪器时，仪器默认以诊断模式启动。



### 注意

**请勿**搬迁仪器。不适当地移动仪器可能会影响光学校准并破坏数据完整性。如需搬迁仪器，请与 Illumina 代表联系。

## 退出到 Windows

“Exit to Windows（退出到 Windows）”命令可让您访问仪器操作系统以及仪器计算机上的任何文件夹。该命令会安全地关闭软件并退出到 Windows。

- 1 选择 **Manage Instrument**（管理仪器）。
- 2 选择 **Shutdown Options**（关机选项）。
- 3 选择 **Exit to Windows**（退出到 Windows）。

# 索引

## B

- BaseSpace Sequence Hub 1, 17
  - 传输图标 23
  - 登录 17, 42
  - 配置 47
- BeadChip
  - 分析 1
  - 类型 1
  - 配准失败 42
  - 条形码方向 26
  - 无法读取条形码 42
  - 转接器 5, 26
  - 装入 27
- BlueFuse Multi 软件 1
- 帮助
  - 文档 1
- 帮助, 技术 65
- 标签注意事项 52

## C

- 测绘带编号 54
- 测序
  - 用户自备的耗材 12
- 测序工作流程 50
- 成像仓 2-3
- 创建运行 14
- 纯度过滤 51
- 次氯酸钠, 清洗 31
- 簇通过过滤 51
- 簇位置
  - 生成模板 50
  - 文件 53
- 错误
  - 概率 52
- 错误和警告 4
  - 在输出文件中 50

## D

- Decode File Client 25
  - 按 BeadChip 访问 26
  - 按帐户访问 26
- DMAP 文件夹
  - Decode File Client 25
  - 正在下载 25
- 电源按钮 5, 9
- 电源开关 9

定相 50

## F

- 废试剂
  - 处理 19
  - 处置 32
  - 容器已满 40
- 分析
  - 输出文件 53
  - 选项 17
- 分析, 初级
  - 信号纯度 51

## G

- GTC 文件 57
- 高级装入选项 11
- 更新软件 34
- 工作流程
  - BaseSpace Sequence Hub 登录 17, 42
  - Local Run Manager模式 17
  - NCS 17
  - BeadChip 27
  - Local Run Manager 17
  - 标签注意事项 52
  - 测序 50
  - 次氯酸钠 31
  - 废试剂 19
  - 高级装入选项 11
  - 缓冲液夹盒 20
  - 流动槽 19
  - 流动槽仓门 16
  - 流动槽准备 15
  - 试剂夹盒 14, 21
  - 手动模式 18
  - 运行持续时间 13
  - 运行前检查 22, 28
  - 运行指标 22
- 故障诊断
  - 低质量指标 41
  - 废试剂容器 40
  - 更换清单文件和簇文件 43
  - 联系选项 37
  - 扫描配准失败 42
  - 特定于扫描的文件 38
  - 特定于运行的文件 37
  - 无法读取 BeadChip 条形码 42
  - 系统检查 44

- 运行前检查 38
- 关闭仪器 36
- 管理仪器
  - 关闭 36
- 过滤文件 53

## H

- 耗材
  - 测序运行 12
  - 缓冲液夹盒 8
  - 流动槽 7
  - 清洗耗材 30-31
  - 实验室级用水 12
  - 试剂夹盒 7
  - 仪器维护 12
- 缓冲液仓 2
- 缓冲液夹盒 8, 20

## I

- Illumina Proactive 监控服务 11
- InterOp 文件 37, 53

## J

- 技术协助 65
- 甲酰胺, 位置 6 21
- 兼容性
  - RFID 跟踪 7
- 碱基检出 51
  - 标签注意事项 52
- 碱基检出文件 53

## K

- 客户支持 65
- 空气过滤器 33
- 空气过滤器仓 2-3
- 控制软件 3

## L

- Local Run Manager 17
  - 创建运行 14
  - 模块 17
- locs 文件 53
- 流动槽
  - 包装 15
  - 测绘带编号 54

- 成像 54
- 对准针 19
- 概述 7
- 类型 1
- 清洁 15
- 图像文件命名 55
- 小区 53
- 小区编号 55
- 泳道编号 54
- 泳道对 7
- 再次杂化 41
- 流动槽仓门 16

## M

- 模块, Local Run Manager 17

## N

- NextSeq 550Dx
  - Local Run Manager 软件 58
  - Windows 退出 60
  - 电源开关 58
  - 关闭仪器 60
  - 关机 60
  - 将仪器重新启动到 Dx 60
  - 将仪器重新启动到 RUO 60
  - 模式指示器 59
  - 软件初始化 58
  - 系统用户名和密码 58
  - 仪器启动 58
  - 仪器重新启动 60
  - 重新启动 60

## P

- Phred 算法 52
- 配置设置 46
- 片段长度 13
- 片段中的循环 13

## Q

- Q-score 52
- 强度 51
- 清除耗材 11
- 清洗
  - 清洗组件 30
  - 手动清洗 30
  - 用户自备的耗材 30

自动 24

## R

RAID 错误消息 46  
 Real-Time Analysis 软件 1, 3  
   结果 53  
 RTA v2  
   终止 49  
 RTA2  
   错误处理 50  
 RTAv2  
   概述 49  
 RunInfo.xml 37, 53  
 日志文件  
   GlobalLog 50  
   LaneNLog 50  
 软件  
   初始化 9  
   创建运行 14  
   配置设置 46  
   手动更新 35  
   图像分析, 碱基检出 3  
   仪器内 3  
   运行持续时间 13  
   自动更新 35

## S

Sequencing Analysis Viewer 13  
 扫描输出文件  
   GTC, IDAT 57  
 生成模板 50  
 实验室级用水准则 12  
 试剂  
   妥善处理 21  
 试剂仓 2  
 试剂夹盒  
   槽 28 31  
   概述 7  
   制备 14  
 手动模式  
   创建运行 14  
 输出文件 53  
 输出文件, 测序 53  
 输出文件, 扫描  
   GTC, IDAT 57  
 输出文件夹 17  
 输入文件, 扫描  
   DMP 文件夹, 下载 25  
   DMP 文件夹 25

簇文件 25, 43  
 清单文件 25, 43  
 数据传输  
   Universal Copy Service 23  
   活动图标 23  
   扫描数据 29  
 缩略图 53

## T

通过过滤 (PF) 51  
 图标  
   错误和警告 4  
   状态 4  
   最小化 NCS 4  
 图像, 双通道测序 51

## U

Universal Copy Service 23

## W

Windows  
   访问 4  
   密码 5  
 网络存储错误 46  
 维护, 预防性 30  
 文档 1, 65  
 文件夹位置 18

## X

系统检查 44  
 系统用户名和密码 9  
 相机编号 54  
 小区编号 55

## Y

仪器  
   电源按钮 5  
   配置设置 46  
   启动 9  
 仪器清洗 30  
 仪器维护  
   耗材 12  
 引物再次杂化 41  
 泳道编号 54  
 泳道对 54

- 用户名和密码 9
- 用户自备的耗材 12
- 预定相 50
- 预防性维护 30
- 运行
  - 创建 14
- 运行参数
  - Local Run Manager模式 17
  - 编辑参数 17
  - 手动模式 18
- 运行持续时间 13
- 运行后清洗 24
- 运行模式
  - Local Run Manager 17
  - 手动 17-18
- 运行前检查 22, 28
- 运行前检查错误 38
- 运行设置, 高级选项 11
- 运行指标 22

## Z

- 再次杂化, 片段 1 41
- 在线培训 1
- 指标
  - 簇密度循环 23
  - 碱基检出 51
  - 强度循环 23
- 质量表 52
- 转接器
  - BeadChip 方向 26
  - BeadChip 装入 27
  - 概述 5
- 状态警报 4
- 状态栏 2
- 组件
  - 成像仓 2-3
  - 缓冲液仓 2
  - 空气过滤器仓 2
  - 试剂仓 2
  - 状态栏 2

# 技术协助

如需技术协助，请与 Illumina 技术支持部门联系。

网站：[www.illumina.com](http://www.illumina.com)  
电子邮件：[techsupport@illumina.com](mailto:techsupport@illumina.com)

## Illumina 客户支持部门电话号码

地区	免费电话	区域电话
北美	1.800.809.4566	
爱尔兰	+353 1800936608	+353 016950506
奥地利	+43 800006249	+43 19286540
澳大利亚	+1.800.775.688	
比利时	+32 80077160	+32 34002973
丹麦	+45 80820183	+45 89871156
德国	+49 8001014940	+49 8938035677
法国	+33 805102193	+33 170770446
芬兰	+358 800918363	+358 974790110
韩国	+82 80 234 5300	
荷兰	+31 8000222493	+31 207132960
挪威	+47 800 16836	+47 21939693
日本	0800.111.5011	
瑞典	+46 850619671	+46 200883979
瑞士	+41 565800000	+41 800200442
西班牙	+34 911899417	+34 800300143
新加坡	1.800.579.2745	
新西兰	0800.451.650	
意大利	+39 800985513	+39 236003759
英国	+44 8000126019	+44 2073057197
中国	400.066.5835	
中国台湾	00806651752	
中国香港特别行政区	800960230	
其他国家/地区	+44.1799.534000	

安全数据表 (safety data sheet, 简称 SDS) — 可通过 Illumina 网站 ([support.illumina.com/sds.html](http://support.illumina.com/sds.html)) 获取。  
产品文档 — 可从 [support.illumina.com](http://support.illumina.com) 下载。



Illumina  
5200 Illumina Way  
San Diego, California 92122 U.S.A.  
+1.800.809.ILMN (4566)  
+1.858.202.4566 (北美以外地区)  
techsupport@illumina.com  
www.illumina.com

仅供科研使用，不可用于诊断过程。

© 2021 Illumina, Inc. 保留所有权利。

illumina®